

Документ подписан простой электронной подписью

Информация о владельце: МИНИСТЕРСТВО СЕЛЬСКОГО ХОЗЯЙСТВА РОССИЙСКОЙ ФЕДЕРАЦИИ

ФИО: Акчурин Сергей Владимирович ЦЕНТРАЛЬНОЕ ГОСУДАРСТВЕННОЕ БЮДЖЕТНОЕ ОБРАЗОВАТЕЛЬНОЕ УЧРЕЖДЕНИЕ ВЫСШЕГО ОБРАЗОВАНИЯ

Должность: Директор Института зоотехники и биологии

Дата подписания: 21.02.2025 10:55:41

Уникальный программный ключ:

7abcc100773ae7c9cceeb4a7a083ff3fbbf160d2a



МИНИСТЕРСТВО СЕЛЬСКОГО ХОЗЯЙСТВА РОССИЙСКОЙ ФЕДЕРАЦИИ
ФЕДЕРАЛЬНОЕ ГОСУДАРСТВЕННОЕ БЮДЖЕТНОЕ ОБРАЗОВАТЕЛЬНОЕ УЧРЕЖДЕНИЕ ВЫСШЕГО ОБРАЗОВАНИЯ
«РОССИЙСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ АГРАРНЫЙ УНИВЕРСИТЕТ –

МСХА имени К.А. ТИМИРЯЗЕВА»

(ФГБОУ ВО РГАУ - МСХА имени К.А. Тимирязева)

Институт садоводства и ландшафтной архитектуры
Кафедра ботаники, селекции и семеноводства садовых растений

УТВЕРЖДАЮ:

И.о. директора института зоотехнии и
биологии

Акчурин С.В.

“30” августа 2024 г.



РАБОЧАЯ ПРОГРАММА ДИСЦИПЛИНЫ
Б1.В.02 Структурная и сравнительная геномика

для подготовки магистров

ФГОС ВО

Направление 06.04.01 Биология

Направленность (программа) «Биоинформатика»

Курс: 1

Семестр: 1

Форма обучения: очная

Год начала подготовки: 2024

Москва, 2024

Разработчики(и): С.Г. Монахос, д.с.-х.н., профессор
Д.Д. Лисовая, ассистент

«28» августа 2024 г.

Рецензент: Монахос Г.Ф., к.с.-х.н., ст.н.с.
(ФИО, ученая степень, ученое звание)

«29» августа 2024 г.

Программа составлена в соответствии с требованиями ФГОС ВО, по направлению подготовки 06.04.01 Биология и учебного плана.

Программа обсуждена на заседании кафедры ботаники, селекции и семеноводства садовых растений, протокол №9.1 от «29» августа 2024 г.

Зав. кафедрой С.Г. Монахос, д.с.-х.н., профессор
(ФИО, ученая степень, ученое звание)

«29» августа 2024 г.

Согласовано:

Председатель учебно-методической комиссии института
садоводства и ландшафтной архитектуры

Маланкина Е.Л., д.с.-х.н., профессор
(ФИО, ученая степень, ученое звание)

(подпись)

Протокол №7 от «29» августа

«29» августа 2024 г.

Заведующий выпускающей кафедрой ботаники,
селекции и семеноводства садовых растений

С.Г. Монахос, д.с.-х.н., профессор
(ФИО, ученая степень, ученое звание)

(подпись)

«29» августа 2024 г.

Зав. Отделом комплектования ЦНБ /

(подпись)

СОДЕРЖАНИЕ

АННОТАЦИЯ	ОШИБКА! ЗАКЛАДКА НЕ ОПРЕДЕЛЕНА.
1. ЦЕЛЬ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ	4
2. МЕСТО ДИСЦИПЛИНЫ В УЧЕБНОМ ПРОЦЕССЕ.....	4
3. ПЕРЕЧЕНЬ ПЛАНИРУЕМЫХ РЕЗУЛЬТАТОВ ОБУЧЕНИЯ ПО ДИСЦИПЛИНЕ (МОДУЛЮ), СООТНесЕнныЕ С ПЛАНИРУЕМЫМ РЕЗУЛЬТАТОМ ОСВОЕНИЯ ОБРАЗОВАТЕЛЬНОЙ ПРОГРАММЫ.....	4
4. СТРУКТУРА И СОДЕРЖАНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ	5
4.1 РАСПРЕДЕЛЕНИЕ ТРУДОЕМКОСТИ ДИСЦИПЛИНЫ ПО ВИДАМ РАБОТ по СЕМЕСТРАМ	5
4.2 СОДЕРЖАНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ	5
4.3 ЛЕКЦИИ И ЛАБОРАТОРИЙНЫЕ/ПРАКТИЧЕСКИЕ ЗАНЯТИЯ	10
5. ОБРАЗОВАТЕЛЬНЫЕ ТЕХНОЛОГИИ	14
6. ТЕКУЩИЙ КОНТРОЛЬ УСПЕВАЕМОСТИ И ПРОМЕЖУТОЧНАЯ АТТЕСТАЦИЯ ПО ИТОГАМ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ	14
6.1. Типовые контрольные задания и иные материалы, необходимые для оценки знаний, умений и навыков и (или) опыта деятельности..... 6.2. Описание показателей и критерии контроля успеваемости, описание шкал оценивания ОШИБКА! ЗАКЛАДКА НЕ ОПРЕДЕЛЕНА.	14
7. УЧЕБНО-МЕТОДИЧЕСКОЕ И ИНФОРМАЦИОННОЕ ОБЕСПЕЧЕНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ ОШИБКА!	14
7.1 ОСНОВНАЯ ЛИТЕРАТУРА	ОШИБКА! ЗАКЛАДКА НЕ ОПРЕДЕЛЕНА.
7.2. ДОПОЛНИТЕЛЬНАЯ ЛИТЕРАТУРА	ОШИБКА! ЗАКЛАДКА НЕ ОПРЕДЕЛЕНА.
7.3. НОРМАТИВНЫЕ ПРАВОВЫЕ АКТЫ	ОШИБКА! ЗАКЛАДКА НЕ ОПРЕДЕЛЕНА.
7.4. МЕТОДИЧЕСКИЕ УКАЗАНИЯ, РЕКОМЕНДАЦИИ И ДРУГИЕ МАТЕРИАЛЫ К ЗАНЯТИЯМ	ОШИБКА! ЗАКЛАДКА НЕ ОПРЕДЕЛЕНА.
8. ПЕРЕЧЕНЬ РЕСУРСОВ ИНФОРМАЦИОННО-ТЕЛЕКОММУНИКАЦИОННОЙ СЕТИ «ИНТЕРНЕТ», НЕОБХОДИМЫХ ДЛЯ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ (МОДУЛЯ)	15
9. ПЕРЕЧЕНЬ ПРОГРАММНОГО ОБЕСПЕЧЕНИЯ И ИНФОРМАЦИОННЫХ СПРАВОЧНЫХ СИСТЕМ (ПРИ НЕОБХОДИМОСТИ)	16
10. ОПИСАНИЕ МАТЕРИАЛЬНО-ТЕХНИЧЕСКОЙ БАЗЫ, НЕОБХОДИМОЙ ДЛЯ ОСУЩЕСТВЛЕНИЯ ОБРАЗОВАТЕЛЬНОГО ПРОЦЕССА ПО ДИСЦИПЛИНЕ (МОДУЛЮ)	17
11. МЕТОДИЧЕСКИЕ РЕКОМЕНДАЦИИ ОБУЧАЮЩИМСЯ ПО ОСВОЕНИЮ ДИСЦИПЛИНЫ..	18
Виды и формы отработки прорешенных занятий	ОШИБКА! ЗАКЛАДКА НЕ ОПРЕДЕЛЕНА.
12. МЕТОДИЧЕСКИЕ РЕКОМЕНДАЦИИ ПРЕПОДОДАВАТЕЛЯМ ПО ОРГАНИЗАЦИИ ОБУЧЕНИЯ ПО ДИСЦИПЛИНЕ	18

АННОТАЦИЯ

Рабочий программы учебной дисциплины

Б1.В.02 «Структурная и сравнительная геномика»
для подготовки магистра по направлению 06.04.01Биология

направленности «Биоинформатика»

3. Цель освоения дисциплины: изучение основных принципов организации генетического материала, а также понимание механизмов эволюции геномов и их взаимосвязи с фенотипическими изменениями.

4. Место дисциплины в учебном плане: дисциплина включена в часть, формируемую участниками образовательных отношений, учебного плана по направлению подготовки 06.04.01Биология

5. Требования к результатам освоения дисциплины: в результате освоения дисциплины формируются следующие компетенции: 3 професиональные компетенции ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4 (ПКос-2.1; ПКос-2.2; ПКос-2.3; ПКос-3.1; ПКос-3.2; ПКос-3.3; ПКос-4.1; ПКос-4.2; ПКос-4.3).

6. Краткое содержание дисциплины: дисциплина "Сравнительная и структурная геномика" изучает методы и подходы, которые используются в геномике для выявления и изучения различий и сходств между геномами отдельных организмов. Основной упор в дисциплине делается на применение геномики в селекции, то есть на использование полученных знаний для улучшения генетических характеристик растений и животных. В рамках курса рассматриваются основные генетические механизмы и закономерности, которые влияют на качество и продуктивность растительных и животных культур. Также изучаются современные методы физической и молекулярной картографии генома, анализ ДНК-маркеров и другие подходы, которые используются для определения генетического состава организма и выявления генетических маркеров, характеризующих определенные качества и характеристики.

7. Общая трудоемкость дисциплины: 72/2 (часы/зач. ед.)
Промежуточный контроль: зачет

1. Цель освоения дисциплины

Целью освоения дисциплины "Структурная и сравнительная геномика в селекции" является систематизированное получение знаний о молекулярных процессах в клетках, принципах идентификации геномных последовательностей, их биоинформационического анализа, молекулярно-генетических маркерах и основах структурной и функциональной геномики. Кроме того, не менее важной частью является изучение возможностей практического применения этих знаний, формирование современных представлений о направлениях развития геномики и биоинформатики. Полученная фундаментальная теоретическая база необходима для овладения современными методами селекции растений.

2. Место дисциплины в учебном процессе

Дисциплина «Структурная и сравнительная геномика» включена в часть професионального цикла, формируемую участниками образовательных отноше-

ний (Б1.В.02). Реализация в дисциплине «Структурная и сравнительная геномика» требований ФГОС ВО, ОПОП и Учебного плана по направлению 06.04.01 Биология для подготовки магистров направленности ««Биоинформатика».

Предшествующими курсами, на которых непосредственно базируется дисциплина «Геномика растений», являются «Биохимия», «Генетика», «Молекулярная генетика», «Физиология растений».

Дисциплина «Геномика растений» является основополагающей для изучения следующих дисциплин: «Структурная и сравнительная геномика», «Гранскриптомика и протеомика», «Современная селекция растений», «Биоинформатика в селекции животных», «Современная селекция животных».

Особенностью дисциплины «Структурная и сравнительная геномика» является то, что она возникла как результат развития генетики, микробиологии, молекулярной биологии, биохимии и т.д. В связи с этим, изучаемая дисциплина является междисциплинарной и помогает студентам увидеть междисциплинарные связи и систематизировать теоретические знания, полученные ранее в процессе обучения. Она даёт магистрантам знания о современных направлениях развития и практических применениях геномики, а также о методологии использования биоинформатических инструментов анализа.

Рабочая программа дисциплины «Структурная и сравнительная геномика» для инвалидов и лиц с ограниченными возможностями здоровья разрабатывается индивидуально с учетом особенностей психофизического развития, индивидуальных возможностей и состояния здоровья таких обучающихся.

3. Перечень планируемых результатов обучения по дисциплине «Структурная и сравнительная геномика», соотнесенных с планируемыми результатами освоения образовательной программы

Изучение данной учебной дисциплины направлено на формирование у обучающихся компетенций, представленных в таблице 1.

4. Структура и содержание дисциплины

4.1 Распределение трудоёмкости дисциплины по видам работ

по семестрам

Общая трудоёмкость дисциплины составляет 2 зач.ед. (72 часа), их распределение по видам работ семестрам представлено в таблице 2.

Таблица 1

№ п/п	Код комп- тентов	Содержание курсовой темы	Требования к результатам освоения учебной дисциплины		Индикаторы компе- тенции	В результате изучения учебной дисциплины обучающиеся должны:
			знать	уметь		
1.	ПКос-2	Способен обрабатывать и критически оценивать результаты научно-исследовательских работ, использовать научно-исследовательские методы, технологии и цифровые средства и способы обработки полученных экспериментальных данных с использованием современных цифровых средств и технологий	ПКос-2.1 практика и методики анализа результатов научных исследований, спроектированное программное обеспечение, способы обработки полученных научных материалов	использовать алгоритм алгоритм поиска количественных и регуляторных участков определения исследование генетических мутаций	использовать алгоритм поиска количественных и регуляторных участков определения исследование генетических мутаций	использовать алгоритм поиска количественных и регуляторных участков определения исследование генетических мутаций

			стоверные факты на основе наблюдений, опыта, научного анализа экспериментальных данных; представлять результаты научных исследований; нести ответственность за качество выполненных работ.	ПКос-3 Использование научно-методические основы и методы биоинформатики для решения производственных и научно-исследовательских задач в области растениеводства и животноводства	ПКос-3 Генетико-геномные исследования	ПКос-3 Генетико-геномные исследования	ПКос-3 Генетико-геномные исследования	ПКос-3 Генетико-геномные исследования
1.				Способен самостоятельно в качестве руководителя или члена коллектива организовывать и управлять производственной и научностью в научно-исследовательской и смежных областях	ПКос-3	ПКос-3	ПКос-3	ПКос-3
2.				пользоваться зарубежными и отечественными информационными базами данных при составлении рефератов, обзоров, для поиска научной литературы в научной и профессиональной деятельности	ПКос-4 Способен профессионально использовать базы данных			

8

			стоверные факты на основе наблюдений, опыта, научного анализа экспериментальных данных; представлять результаты научных исследований; нести ответственность за качество выполненных работ.	ПКос-3 Использование научно-методические основы и методы биоинформатики для решения производственных и научно-исследовательских задач в области растениеводства и животноводства	ПКос-3 Генетико-геномные исследования	ПКос-3 Генетико-геномные исследования	ПКос-3 Генетико-геномные исследования	ПКос-3 Генетико-геномные исследования
1.				пользоваться зарубежными и отечественными информационными базами данных при составлении рефератов, обзоров, для поиска научной литературы в научной и профессиональной деятельности	ПКос-4 Способен профессионально использовать базы данных			
2.				использовать структурные и функциональные особенности нуклеиновых кислот	ПКос-4 Способен профессионально использовать базы данных			

7

8

ОЧНАЯ ФОРМА ОБУЧЕНИЯ

Таблица 2а

работа с исследовательскими и изыскательскими пакетами прикладных программ в изучаемой предметной области	проверка и набор данных изучаемых кистей и лепестков в соотвествии с изучаемой предметной областью, принципы работы используемого оборудования (специализированных пакетов прикладных программ)	получение и анализ основных типов ДНК-маркеров и генотипирования	склонность отображения научных публикаций, исследований в сети Интернет	напоминание о необходимости использования базы данных отображения научных публикаций, исследований в сети Интернет
			час.	
ПКос-4-2 проводить эксперименты с использованием изыскательского оборудования (пакетов прикладных программ)	ПКос-4-3 способность определять основное программное обеспечение и методы математической статистики в геномике	использовать стандартные и специализированные пакеты прикладных компьютерных программ для решения практических задач биоинформатики	известными типами ДНК-маркеров и методами генотипирования	известными типами ДНК-маркеров и методами генотипирования
ПКос-4-3 способность определять основное программное обеспечение и методы математической статистики в геномике	ПКос-4-3 способность определять основное программное обеспечение и методы математической статистики в геномике	использовать стандартные и специализированные пакеты прикладных компьютерных программ для решения практических задач биоинформатики	известными типами ДНК-маркеров и методами генотипирования	известными типами ДНК-маркеров и методами генотипирования

Распределение трудоёмкости дисциплины по видам работ по семестрам

Вид учебной работы	График	
	час.	час.
Общая трудоёмкость дисциплины по учебному плану	72	42
1. Контактная работа:		
Аудиторная работа		
<i>в том числе:</i>		
<i>лекции (11)</i>	<i>14</i>	<i>-</i>
<i>практические занятия (17)</i>	<i>28</i>	<i>-</i>
<i>консультации перед экзаменом</i>	<i>-</i>	<i>-</i>
<i>комплексная работа на промежуточном контроле (КРА)</i>	<i>0,25</i>	<i>-</i>
2. Самостоятельная работа (СРС)	29,75	29,75
<i>самостоятельное изучение разделов, самоподготовка (практические занятия, повторение лекционного материала и материала учебников и учебных пособий, подготовка к лабораторным и практическим занятиям, коллоквиумам и т.д.)</i>	<i>29,75</i>	<i>29,75</i>
<i>Подготовка к экзамену (контроль)</i>	<i>-</i>	<i>-</i>
<i>Вид промежуточного контроля:</i>		
<i>Зачет</i>		

4.2 Содержание дисциплины

ОЧНАЯ ФОРМА ОБУЧЕНИЯ

Таблица 3

Тематический план учебной дисциплины

Наименование разделов и тем дисциплины (окрупнённо)	Всего	Аудиторная работа		Внедрительно-реализация СР
		Л	ПЗ/С	
Раздел 1. Структурная и сравнительная геномика	72	14	28	0,25
Введение в геномику	10	2	4	- 4
Тема 1. Методы и технологии геномики	10	2	4	- 4
Тема 2. Геномика организмов	10	2	4	- 4
Тема 3. Структура геномика	14	3	6	- 5
Тема 4. Сравнительная геномика	13,75	3	6	- 4,75
Тема 5. Эволюция геномов	10	2	4	- 4
Тема 6. Инструментальные методы в геномике	10	2	4	- 4
Контактная работа на промежуточном контроле (КРА)	0,25	-	-	0,25 -
Итого по дисциплине	72	14	28	0,25 29,75

Раздел 1. Структурная и сравнительная геномика

Введение в геномику

История развития геномики. Основные понятия и определения геномики. Геном: структура, функции и свойства. Геномные проекты: фундаментальные задачи и практические решения.

Тема 1. Методы и технологии геномики

Молекулярные методы: ПЦР (полимеразная цепная реакция), секвенирование ДНК, флуоресцентная *in situ* гибридизация (FISH), хроматическая *in situ* гибридизация (CISH), Саузерн-блоттинг, скрининг библиотек геномной ДНК. Методы секвенирования ДНК: Sanger, Шиптила, PacBio, Nanopore. Генерация и хранение геномных данных. Современные принципы работы с целым геномом. Инструменты для сборки и работы с геномом. Бионформатический анализ данных секвенирования ДНК.

Тема 2. Геномика организмов

Прокариоты. Человеческий геном: структура и строение. Основные характеристики генома человека. Геном растений: организация генетического материала, особенности строения хромосом. Различные типы геномов растений. Основные характеристики генома растений.

Тема 3. Структурная геномика

Основные достижения в геномике. Цели и задачи структурной геномики. Генные элементы: экзоны, интроны, промоторы, РНК-тены, некодирующие РНК. Геномная структура и её изменения. Анализ геномов. Функциональная аннотация геномов. Геномика популяций и геномика ассоциаций. Направления развития геномики.

Тема 4. Сравнительная геномика

Методы сравнительной геномики: сравнительный анализ последовательностей ДНК, экспрессии генов, функциональных элементов генома. Сравнение геномов бактерий: структура и функции генома, гены, бактериальный патогенность, эволюционные изменения генома. Сравнение геномов животных: определение общих и отличительных черт геномов, сравнение геномов разных видов. Методы сравнительного анализа геномов разных организмов.

Тема 5. Эволюция геномов

Эволюция геномов. Механизмы изменения генома: мутации, рекомбинация, геномные дупликации. Эволюция генов. Сравнительная геномика в филогении. Сравнительная геномика и функциональная геномика.

Тема 6. Инструментальные методы в геномике

Биоинформатические подходы к анализу геномов: сборка, картрирование, поиск и аннотация SNV. Филогенетический анализ геномов. Установление корреляций между фенотипом и генотипом.

4.3 Лекции, практические занятия

Таблица 4
Содержание лекций, практических занятий и контрольные мероприятия

№ п/п	Название раздела, темы	№ и название лекций/ лабораторных/ практических/ семинарских занятий	Формируемые компетенции	Вид контрольного мероприятия	Кол-во часов
	Раздел 1. Структурная и сравнительная геномика		ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4	устный опрос, контрольная работа	42.25
1.	Введение в геномику	Лекция № 1. Введение в геномику	ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4		2
2.	Тема 1. Методы и технологии геномики	Практическая работа № 1. Введение в геномику	ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4	устный опрос	4
3.	Тема 2. Геномика организмов	Лекция № 2. Методы и технологии геномики	ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4		2
4.	Тема 3. Структурная геномика	Практическая работа № 2-4. Методы и технологии геномики	ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4	устный опрос	4
5.	Тема 4. Сравнительная геномика	Лекция № 3. Геномика организмов	ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4		2
6.	Тема 5. Эволюция геномов	Практическая работа № 5. Геномика организмов	ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4	устный опрос	4
		Лекция № 4. Структурная геномика	ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4		4
		Практическая работа № 6. Сравнительная геномика	ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4	устный опрос	6
		Лекция № 5. Сравнительная геномика	ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4		4
		Практическая работа № 7. Сравнительная геномика	ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4	устный опрос	6
		Лекция № 6. Эволюция геномов	ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4		2
		Практическая работа № 8.	ПКос-2,	устный опрос	4

№ п/п	Название раздела, те- мы	№ и название лекций/ лабораторных/практических/ семинарских занятий	Формируемые компетенции	Вид контрольного мероприятия	Кол-во часов
7.	Эволюция геномов	Лекция № 7. Эволюция ге- номов	ПКос-3, ПКос-4		2
7.	Тема 6. Ин- струмен- тальные ме- тоды в ге- номике	Практическая работа № 8. Эволюция геномов	ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4	устный опрос	
		Итоговая контрольная работа	ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4	контрольная работа	4

Таблица 5
Перечень вопросов для самостоятельного изучения дисциплины

Применение активных и интерактивных образовательных технологий			
№ п/п	Тема и форма занятия	Наименование используемых активных и интерактивных образовательных технологий	
1.	Тема 1. Введение в геномику	ПЗ	Круглый стол
2.	Тема 2. Структурная геномика	Л	Проблемная лекция
3.	Тема 3. Сравнительная геномика	ПЗ	Интерактивная форма мастер-класс
4.	Тема 4. Геномика в селекции растений и животных	ПЗ	Интерактивная форма мастер-класс
5.	Тема 5. Инструментальные методы в геномике	Л	Проблемная лекция

5. Образовательные технологии

Таблица 6

№ п/п	Название раздела,	Перечень рассматриваемых вопросов для самостоятельного изучения
6.	Тема 5. Эволюция геномов	Эволюция геномов. Механизмы изменения генома: мутации, рекомбинация, геномные дупликации. Эволюция генов. Сравнительная геномика в филогении. Сравнительная геномика и функциональная геномика. ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4
7.	Тема 6. Инструментальные методы в геномике	Биоинформатические подходы к анализу геномов: сборка, картирование, поиск и аннотация SNV. Филогенетический анализ геномов. Установление корреляций между фенотипом и генотипом. ПКос-2, ПКос-3, ПКос-4

6. Текущий контроль успеваемости и промежуточная аттестация по итогам освоения дисциплины

6.1. Типовые контрольные задания или иные материалы, необходимые для оценки знаний, умений и навыков и (или) опыта деятельности

Контрольная работа

Вариант 1

- Цели и задачи сравнительной геномики.
- Организация генома прокариот.
- Функциональная аннотация геномов
- CRISPR / Cas9

Вариант 2

- Содержание и организация геномной информации.

2. Секвенирование 2 поколения
 3. Модификации генома и их роль в селекции
 4. Биоинформатические подходы к анализу геномов
- Вариант 3**
1. Методы и подходы сравнительной геномики.
 2. Секвенирование 3 поколения
 3. Модификации генома и их роль в селекции
 4. Происхождение и эволюция генов

Рейтинговый балл, выставляемый студенту		Оценка по традиционной шкале (% от макс. балла за дисциплину)
Рейтинговый балл	(% от макс. балла за дисциплину)	
85,1-100%	Менее 60 %	Отлично
65,1 – 85 %	60,1 – 65 %	Хорошо
Удовлетворительно	Неудовлетворительно	

7. Учебно-методическое и информационное обеспечение дисциплины

6.2. Описание показателей и критерии контроля успеваемости, описание шкалы оценивания

Балльно-рейтинговая система оценки

Объем рейтинга составляет: за текущий контроль - 30% от нормативного рейтинга дисциплины, за рубежный контроль - 30% от нормативного рейтинга дисциплины и за итоговый контроль - 40% от нормативного рейтинга дисциплины.

Таблица 7

Система рейтинговой оценки

Оценочные средства	Баллы			
	0	2	4	5
Контрольная работа	0-4	5-6	7-8	9-10
Экзамен	0-8	9-13	14-17	18-20
Оценка	Нед.	Удов.	Хорошо	Отлично
Посещение лекций и практических занятий				
Посещаемость	≤85%	86-88%	89-91%	92-100%
Баллы	0	10	20	30

Посещаемость рассчитывается, как отношение числа пропущенных занятий к общему числу занятий.

Максимальное число баллов – 100

Для допуска к сдаче зачета с оценкой по дисциплине необходимо:

- фактический рейтинг семестрового контроля должен составлять более 50% от нормативного рейтинга семестра для дисциплины ($R_{факт.сем} > 50\% R_{норм.семestr}$), т.е. должен быть достигнут пороговый рейтинг;
- должен быть выполнен объем аудиторных занятий (включая посещение лекций), предусмотренный учебным планом.

7.1 Основная литература

1. Современные аспекты биотехнологии : учебно-методический комплекс / Е. А. Калашникова, Р. Н. Кираюсян ; Российский государственный аграрный университет - МСХА имени К. А. Тимирязева (Москва). - Москва : РГАУ-МСХА им. К. А. Тимирязева, 2016. - 125 с.
2. Генетика с основами селекции : учебник для студентов ВУЗов / С. Г. Инге-Вентомов. - 2-е изд. - Санкт-Петербург : Изд. Н-Л, 2010. - 718 с.
3. Смирьев А. В. Основы биоинформатики : учебное пособие для подготовки магистров по напр. "Агрономия": молекулярная генетика; математическое моделирование; информатика / А. В. Смирьев, Л. К. Панкина ; Московская сельскохозяйственная академия им. К. А. Тимирязева. - М. : МСХА, 2008. - 102 с.

7.2 Дополнительная литература

1. Браун Т. А. Геномы / Т. А. Браун. - Москва : ИН. компьютерных исслед., 2011. - 921 с.
2. Прохоров И. А. Селекция и семеноводство овощных культур : учебник по спец.310300 "Плодоовощеводство и виноградарство" / И.А.Прохоров, А.В.Крюков, В.А.Комиссаров.М-во сельхоз-ва и прод.РФ. - 2-е изд.,перераб.доп. - М. : Колос, 1997. - 479 с.
3. Общая селекция растений : учебник , для студентов обучающихся по направлению 110400 - "Агрономия" / Ю. Б. Коновалов [и др]. - СПб. : Лань, 2013. - 477 с.
4. Практикум по селекции и семеноводству полевых культур : для подготовки бакалавров, обучающихся по направлению 110400 - "Агрономия" / ред. В. В. Пильнев. - Санкт-Петербург : Лань, 2014. - 438 с.
5. Коничев А. С. Молекулярная биология : учебник для студ. вузов по спец. "Биология" / А. С. Коничев, Г. А. Севастьянова. - М. : Academia, 2003. - 400 с.

8. Перечень ресурсов информационно-телекоммуникационной сети «Интернет», необходимых для освоения дисциплины (модуля)

1. Protein Data Bank, база данных PDB – <http://www.rcsb.org> (открытый доступ)

2. Европейская молекулярно-биологическая лаборатория - <https://www.embl.org/> (открытый доступ)

3. Бесплатная поисковая система по биомедицинским исследованиям PubMed - <https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/> (открытый доступ)

4. Сервер Национального центра биотехнологической информации США (NCBI): базы данных GenBank, NCBI Protein Database, UniGene, HomoloGene и др. - <http://www.ncbi.nlm.nih.gov> (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov>) (открытый доступ)

5. DNA Data Bank of Japan - <https://www.ddbj.nig.ac.jp/index-e.html>

6. SWISS-PROT, UniProt the protein sequence data bank, база данных UniProt - <http://beta.uniprot.org> (открытый доступ) (открытый доступ)

7. База данных UniProt на сервере Европейского института геномики и протеомики (European Bioinformatics Institute, EBI) – <http://www.ebi.ac.uk/uniprot> (открытый доступ)

8. Базы данных Swiss-Prot, TrEMBL, UniProt на сервере ExPASy (Expert Protein Analysis System) Швейцарского Института Геномики и протеомики SIB - <http://www.expasy.org/sprot> (открытый доступ)

9. База данных САТН Protein Structure Classification - <http://www.cathdb.info/>

10. NCBI VAST - <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/Structure/VAST/vast.shtml> (открытый доступ)

11.Классическая и молекулярная биология – <http://molbiol.ru> (открытый доступ)

12.Объединенный Центр вычислительной биологии и геномики, и протеомики, русскоязычный информационный сайт с веб-адресами и краткой характеристикой молекулярно-биологических баз данных – <http://www.jcbi.ru> (открытый доступ)

13.Практическая молекулярная биология – <http://molbiol.edu.ru> (открытый доступ)

14. База данных геномов растений – <https://www.plantgdb.org>

15.Сервер Центра моделирования молекул Национального Института Здоровья NIH, США – <http://cmmi.info.nih.gov/modeling> (открытый доступ)

Молекулярных данных.

9. Перечень программного обеспечения и информационных справочных систем

Таблица 8

Перечень программного обеспечения				
№ п/п	Наименование раздела учебной дисциплины	Наименование программы	Тип программы	Автор разработки
1	Программное обеспечение и информационно справочные системы не используются			

Таблица 9

Сведения об обеспеченности специализированными аудиториями, кабинетами, лабораториями	
Наименование специальных помещений и помещений для самостоятельной работы (№ учебного корпуса, № аудитории)	Оналиченность специальных помещений и помещений для самостоятельной работы**
1 Центральная научная библиотека имени Н.И. Железнова. Читальне залы библиотеки	Столы, стулья, учебная литература
Облачжение №5 Комната для самоподготовки	Столы, стулья

11. Методические рекомендации студентам по освоению дисциплины

Основной объем материала студенту необходимо освоить самостоятельно в соответствии с темами для самостоятельной подготовки из таблицы 5. Студенты должны соблюдать дисциплину, вовремя приходить на занятия, представлять на проверку домашнюю работу, готовиться к проверочным и контрольным работам, предусмотренным курсом, проявлять активность на занятиях. Важное место в образовательном процессе занимает самостоятельная работа студентов. Для организации самостоятельной работы студентов по курсу используются современные информационные технологии: размещенные в сете-вом доступе комплексы учебных и учебно-методических материалов (программа, список рекомендуемой литературы и информационных ресурсов, задания для самоконтроля), свободный доступ к сети «Интернет» для работы с базами Молекулярных данных.

Виды и формы отработки пропущенных занятий

Студент, пропустивший занятия обязан предоставить и защитить реферат по пропущенной теме.

12. Методические рекомендации преподавателям по организации обучения по дисциплине

Годагог, проводящий занятия, должен обладать высокой квалификацией и опытом. Необходимо разбираться в нюансах работы, чтобы при необходимости была возможность исправить ошибку студента. Для успешного освоения предмета необходимо периодически организовывать обсуждения и дискуссии по темам дисциплины.

10. Описание материально-технической базы, необходимой для осуществления образовательного процесса по дисциплине (модулю)
Процесс изучения дисциплины обеспечен аудиторией, оборудованной персональными компьютерами, мультимедийными средствами для демонстрации презентаций и доступом к информационно-телекоммуникационной сети «Интернет».

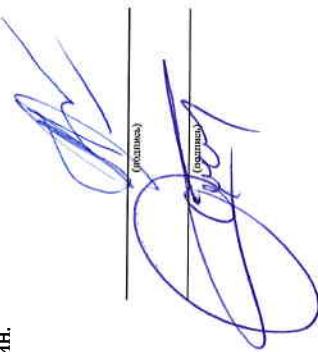
Все практические работы носят строго профессиональный характер. Навыки, полученные при выполнении этих работ, пригодятся студенту на всех этапах обучения, при подготовке выпускной работы магистра и в профессиональной деятельности.

При преподавании курса необходимо ориентироваться на современные образовательные технологии путем использования группового способа обучения на практических занятиях, разбора конкретных ситуаций и интерактивного обсуждения результатов исследовательских учебных работ. Реализация современного подхода должна обеспечиваться широким использованием активных интерактивных форм проведения занятий, посещение профильных научно-исследовательских учреждений и повысить интерес к изучению дисциплины. Задачей преподавателя является приведение максимального количества позитивных примеров учреждений и специалистов добившихся высоких результатов в своих отраслях биотехнологии, для стимулирования интереса студентов к углубленному изучению данных дисциплин.

Программу разработал (и):

Лисовая Д.Д., ассистент

Монахос С.Г., д.с.-х.н., профессор



РЕЦЕНЗИЯ

на рабочую программу дисциплины «Структурная и сравнительная геномика» ОПОП ВО по направлению 06.04.01 Биология, направленность «Биоинформатика» (квалификация выпускника – магистр).

Монахосом Григорием Федоровичем, генеральным директором ООО «Селекционная станция им. Н.Н.Тимофеева», кандидатом сельскохозяйственных наук, старшим научным сотрудником (далее по тексту рецензент), проведена рецензия рабочей программы дисциплины «Структурная и сравнительная геномика» ОПОП ВО по направлению 06.04.01 Биология, направленность «Биоинформатика» (магистратура) разработанной в ФГБОУ ВО «Российский государственный аграрный университет – МСХА имени К.А. Тимирязева», на кафедре ботаники, селекции и семеноводства садовых растений (*разработчики – Лисовая Да-рья Дмитриевна, ассистент, Монахос Сократ Григорьевич, заведующий кафедрой, д. с.-х.н., профессор*).

Рассмотрев представленные на рецензию материалы, рецензент пришел к следующим выводам:

1. Предъявленная рабочая программа дисциплины «Структурная и сравнительная геномика» (далее по тексту Программа) соответствует требованиям ФГОС ВО по направлению 06.04.01 Биология. Программа содержит все основные разделы, соответствует требованиям к нормативно-методическим документам.

2. Представленная в Программе актуальность учебной дисциплины в рамках реализации ОПОП ВО не подлежит сомнению – дисциплина относится к части, формируемой участниками образовательных отношений – Б1.

3. Представленные в Программе цели дисциплины соответствуют требованиям ФГОС ВО направления 06.04.01 Биология.

4. В соответствии с Программой за дисциплиной «Структурная и сравнительная геномика» закреплена **2 компетенции**. Дисциплина «Структурная и сравнительная геномика» и представленная Программа способна реализовать их в объявленных требованиях.

Результаты обучения, представленные в Программе в категориях знать, уметь, владеть соответствуют специфике и содержанию дисциплины и демонстрируют возможность получения заявленных результатов.

5. Общая трудоёмкость дисциплины «Структурная и сравнительная геномика» составляет **2 зачётных единицы (72 часа)**.

6. Информация о взаимосвязи изучаемых дисциплин и вопросам исключения дублирования в содержании дисциплин соответствует действительности. Дисциплина «Структурная и сравнительная геномика» взаимосвязана с другими дисциплинами ОПОП ВО и Учебного плана по направлению 06.04.01 Биология и возможность дублирования в содержании отсутствует.

7. Представленная Программа предполагает использование современных образовательных технологий, используемые при реализации различных видов учебной работы. Формы образовательных технологий соответствуют специфике дисциплины.

8. Программа дисциплины «Структурная и сравнительная геномика» предполагает **18 часов занятий** в интерактивной форме.

9. Виды, содержание и трудоёмкость самостоятельной работы студентов, представленные в Программе, соответствуют требованиям к подготовке выпускников, содержащимся во ФГОС ВО направления 06.04.01 Биология.

10. Представленные и описанные в Программе формы *текущей* оценки знаний (опрос, как в форме обсуждения отдельных вопросов, так и выступления и участие в дискуссиях, диспутах и аудиторных заданиях), соответствуют специфике дисциплины и требованиям к выпускникам.

Форма промежуточного контроля знаний студентов, предусмотренная Программой, осуществляется в форме *зачета*, что соответствует статусу дисциплины, как дисциплины учебного цикла – Б1 ФГОС ВО направления 06.04.01 Биология.

11. Формы оценки знаний, представленные в Программе, соответствуют специфике дисциплины и требованиям к выпускникам.

12. Учебно-методическое обеспечение дисциплины представлено: основной литературой – **3 источника** (базовый учебник), дополнительной литературой – **7 наименования**, Интернет-ресурсы – **15 источников** и соответствует требованиям ФГОС ВО направления 06.04.01 Биология.

13. Материально-техническое обеспечение дисциплины соответствует специфике дисциплины «Структурная и сравнительная геномика» и обеспечивает использование современных образовательных, в том числе интерактивных методов обучения.

14. Методические рекомендации студентам и методические рекомендации преподавателям по организации обучения по дисциплине дают представление о специфике обучения по дисциплине «Структурная и сравнительная геномика».

ОБЩИЕ ВЫВОДЫ

На основании проведенной рецензии можно сделать заключение, что характер, структура и содержание рабочей программы дисциплины «Структурная и сравнительная геномика» ОПОП ВО по направлению 06.04.01 Биология, направленность «Биоинформатика» (квалификация выпускника – магистр), разработанная Лисовой Дарьей Дмитриевной, ассистентом и Монахосом Сократом Григорьевичем, заведующим кафедрой, д.с.-х.н., профессором соответствует требованиям ФГОС ВО, современным требованиям экономики, рынка труда и позволит при её реализации успешно обеспечить формирование заявленных компетенций.

Рецензент: Монахос Григорий Федорович, генеральный директор ООО «Селекционная станция им. Н.Н.Тимофеева», кандидат сельскохозяйственных наук, старший научный сотрудник _____  «20» августа 2024 г.

подпись