
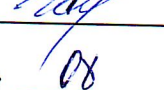
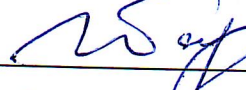




МСХА имени К.А. ТИМИРЯЗЕВА»
(ФГБОУ ВО РГАУ - МСХА имени К.А. Тимирязева)

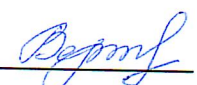
Москва, 2024

Разработчики: Чердниченко М.Ю., канд. биол. наук, доцент 
Хлебникова Д.А., канд. биол. наук, доцент 
« 30 » 08 2024 г.


Рецензент: Тараканов И.Г., д-р биол. наук, профессор 
« 30 » 08 2024 г.

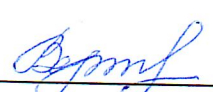
Программа составлена в соответствии с требованиями ФГОС ВО 3++, профессионального стандарта и учебного плана по направлению подготовки 19.04.01 – Биотехнология.


Программа обсуждена на заседании кафедры биотехнологии, протокол № 1 от « 30 » 08 2024 г.

И.о. зав. кафедрой Вертикова Е.А., д-р с.-х. наук, профессор 
« 30 » 08 2024 г.

Согласовано:

Председатель учебно-методической комиссии
факультета агрономии и биотехнологии
Шитикова А.В., д-р с.-х. наук, профессор 
« 30 » 08 2024 г.

И.о. заведующего выпускающей кафедрой
биотехнологии Вертикова Е.А., д-р с.-х. наук, профессор 
« 30 » 08 2024 г.

Заведующий отделом комплектования ЦНБ  

СОДЕРЖАНИЕ

1. ЦЕЛЬ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ.....	5
2. МЕСТО ДИСЦИПЛИНЫ В УЧЕБНОМ ПРОЦЕССЕ.....	5
3. ПЕРЕЧЕНЬ ПЛАНИРУЕМЫХ РЕЗУЛЬТАТОВ ОБУЧЕНИЯ ПО ДИСЦИПЛИНЕ, СООТНЕСЕННЫХ С ПЛАНИРУЕМЫМИ РЕЗУЛЬТАТАМИ ОСВОЕНИЯ ОБРАЗОВАТЕЛЬНОЙ ПРОГРАММЫ	5
4. СТРУКТУРА И СОДЕРЖАНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ.....	9
4.1 РАСПРЕДЕЛЕНИЕ ТРУДОЁМКОСТИ ДИСЦИПЛИНЫ ПО ВИДАМ РАБОТ.....	9
ПО МОДУЛЯМ	9
4.2 СОДЕРЖАНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ.....	9
4.3 ЛЕКЦИИ, ЛАБОРАТОРНЫЕ ЗАНЯТИЯ.....	11
5. ОБРАЗОВАТЕЛЬНЫЕ ТЕХНОЛОГИИ.....	13
6. ТЕКУЩИЙ КОНТРОЛЬ УСПЕВАЕМОСТИ И ПРОМЕЖУТОЧНАЯ АТТЕСТАЦИЯ ПО ИТОГАМ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ.....	14
6.1. ТИПОВЫЕ КОНТРОЛЬНЫЕ ЗАДАНИЯ ИЛИ ИНЫЕ МАТЕРИАЛЫ, НЕОБХОДИМЫЕ ДЛЯ ОЦЕНКИ ЗНАНИЙ, УМЕНИЙ И НАВЫКОВ И (ИЛИ) ОПЫТА ДЕЯТЕЛЬНОСТИ.....	14
6.2. ОПИСАНИЕ ПОКАЗАТЕЛЕЙ И КРИТЕРИЕВ КОНТРОЛЯ УСПЕВАЕМОСТИ, ОПИСАНИЕ ШКАЛ ОЦЕНИВАНИЯ.....	16
7. УЧЕБНО-МЕТОДИЧЕСКОЕ И ИНФОРМАЦИОННОЕ ОБЕСПЕЧЕНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ.....	16
7.1 ОСНОВНАЯ ЛИТЕРАТУРА	17
7.2 ДОПОЛНИТЕЛЬНАЯ ЛИТЕРАТУРА.....	17
7.3 МЕТОДИЧЕСКИЕ УКАЗАНИЯ, РЕКОМЕНДАЦИИ И ДРУГИЕ МАТЕРИАЛЫ К ЗАНЯТИЯМ	17
8. ПЕРЕЧЕНЬ РЕСУРСОВ ИНФОРМАЦИОННО- ТЕЛЕКОММУНИКАЦИОННОЙ СЕТИ «ИНТЕРНЕТ», НЕОБХОДИМЫХ ДЛЯ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ (МОДУЛЯ)	18
9. ОПИСАНИЕ МАТЕРИАЛЬНО-ТЕХНИЧЕСКОЙ БАЗЫ, НЕОБХОДИМОЙ ДЛЯ ОСУЩЕСТВЛЕНИЯ ОБРАЗОВАТЕЛЬНОГО ПРОЦЕССА ПО ДИСЦИПЛИНЕ	18
10. МЕТОДИЧЕСКИЕ РЕКОМЕНДАЦИИ СТУДЕНТАМ ПО ОСВОЕНИЮ ДИСЦИПЛИНЫ	18
Виды и формы отработки пропущенных занятий . Ошибка! Закладка не определена.	
11. МЕТОДИЧЕСКИЕ РЕКОМЕНДАЦИИ ПРЕПОДАВАТЕЛЯМ ПО ОРГАНИЗАЦИИ ОБУЧЕНИЯ ПО ДИСЦИПЛИНЕ	Ошибка! Закладка не определена.20

АННОТАЦИЯ
рабочей программы учебной дисциплины Б1.В.04 «Биоинформатика»
для подготовки магистров по направлению 19.04.01 - «Биотехнология»
направленности «Биотехнология и молекулярная биология»

Цель освоения дисциплины: освоение студентом принципов биоинформатического подхода к представлению, анализу и интерпретации биологических данных, прежде всего, последовательностей нуклеиновых кислот и протеинов; осуществления критического анализа проблемных ситуаций на основе системного подхода, выработки стратегии действий; управления проектом на всех этапах его жизненного цикла; применения современных коммуникативных технологий, в том числе на иностранном(ых) языке(ах), для академического и профессионального взаимодействия; использования цифровых средств и технологий, современных достижений нано- и биотехнологий, молекулярной биологии в сельском хозяйстве, экологии и медицине.

Место дисциплины в учебном плане: дисциплина включена в вариативную часть учебного плана по направлению подготовки 19.04.01 – Биотехнология.

Требования к результатам освоения дисциплины: в результате освоения дисциплины формируются следующие компетенции: УК-1, УК-2, УК-4, ПКос-1.

Краткое содержание дисциплины: дисциплина раскрывает возможности применения методов биоинформатики для решения актуальных практических вопросов селекции, медицины, фармацевтики, а также фундаментальных вопросов биологии и генетики. Рассматриваются различные биологические базы данных: их классификация и методы работы с ними. Также внимание уделено выравниванию биологических последовательностей: принципам и методам. Еще одной рассматриваемой задачей является предсказание генов, промоторов и регуляторных элементов. Молекулярная филогенетика, рассматриваемая в рамках данной дисциплины, раскрывает основы построения и интерпретации филогенетических деревьев, что чрезвычайно важно для изучения эволюции органического мира. Структурная биоинформатика позволяет визуализировать, сравнивать и классифицировать структуры протеинов, предсказание структуры протеинов и РНК.

Предшествующими курсами, на которых непосредственно базируется дисциплина «Биоинформатика» являются «Молекулярная генетика», «Информационные технологии в биотехнологии», «Методологические основы исследований в биотехнологии», «Методы моделирования биотехнологических процессов», «Генная инженерия». Дисциплина «Биоинформатика» является основополагающей для изучения следующих дисциплин: «Инновационные агrobiотехнологии», «Биоинженерия в АПК», «Прикладная биотехнология».

Общая трудоемкость дисциплины/ в т.ч. практическая подготовка: 108 часов (3 зач.ед.)/4.

Промежуточный контроль: экзамен.

1. Цель освоения дисциплины

Целью освоения дисциплины «Биоинформатика» является освоение студентом принципов биоинформатического подхода к представлению, анализу и интерпретации биологических данных, прежде всего, последовательностей нуклеиновых кислот и протеинов; осуществления критического анализа проблемных ситуаций на основе системного подхода, выработки стратегии действий; управления проектом на всех этапах его жизненного цикла; применения современных ком-муникативных технологий, в том числе на иностранном(ых) языке(ах), для академического и профессионального взаимодействия; использования цифровых средств и технологий, современных достижений нано- и биотехнологий, молекулярной биологии в сельском хозяйстве, экологии и медицине.

Цель дисциплины соотносится с общими целями основной профессиональной образовательной программы (ОПОП ВО) по направлению 19.04.01 – Биотехнология, в рамках которого изучается данная дисциплина.

2. Место дисциплины в учебном процессе

Дисциплина «Биоинформатика» включена в вариативную часть учебного плана. Дисциплина «Биоинформатика» реализуется в соответствии с требованиями ФГОС, ОПОП ВО и Учебного плана по направлению 19.04.01 – Биотехнология.

Предшествующими курсами, на которых непосредственно базируется дисциплина «Биоинформатика» являются «Молекулярная генетика», «Информационные технологии в биотехнологии», «Методологические основы исследований в биотехнологии», «Методы моделирования биотехнологических процессов», «Генная инженерия».

Дисциплина «Биоинформатика» является основополагающей для изучения следующих дисциплин: «Инновационные агrobiотехнологии», «Биоинженерия в АПК», «Прикладная биотехнология».

Особенностью дисциплины является фундаментальный подход к практической реализации целей освоения дисциплины, охватывающий широкий спектр теоретических знаний и практических навыков.

Рабочая программа дисциплины «Биоинформатика» для инвалидов и лиц с ограниченными возможностями здоровья разрабатывается индивидуально с учетом особенностей психофизического развития, индивидуальных возможностей и состояния здоровья таких обучающихся.

3. Перечень планируемых результатов обучения по дисциплине, соотнесенных с планируемыми результатами освоения образовательной программы

Изучение данной учебной дисциплины направлено на формирование у обучающихся компетенций, представленных в таблице 1.

Таблица 1

Требования к результатам освоения учебной дисциплины

№ п/п	Код компетенции	Содержание компетенции (или её части)	Индикаторы компетенций (для 3++)	В результате изучения учебной дисциплины обучающиеся должны:		
				знать	уметь	владеть
1.	УК-1	Способен осуществлять критический анализ проблемных ситуаций на основе системного подхода, вырабатывать стратегию действий	УК-1.1 Знает методы критического анализа и оценки современных научных достижений, основные принципы критического анализа	методы критического анализа и оценки современных научных достижений, основные принципы критического анализа	осуществлять критический анализ и оценку современных научных достижений	навыками критического анализа и оценки современных научных достижений
2.			УК-1.3 Осуществляет поиск вариантов решения выявленной проблемной ситуации на основе доступных источников информации. Определяет в рамках выбранного решения вопросы (задачи), подлежащие дальнейшей разработке, и обосновывает его выбор. Предлагает способы их решения	доступные источники информации для поиска вариантов решения выявленной проблемной ситуации	осуществлять поиск вариантов решения выявленной проблемной ситуации; определять вопросы (задачи), подлежащие дальнейшей разработке, обосновывать выбор	навыками обоснования выбора решения проблемной ситуации
3.			УК-1.4 Разрабатывает стратегию достижения поставленной цели как последовательность шагов, предвидя результат каждого из них, оценивая их влияние на окружающий мир	потенциальные различные стратегии достижения поставленной цели	предвидеть результаты каждого шага к достижению поставленной цели	навыками оценки влияния на окружающий мир шагов, предпринимаемых для достижения цели
4.	УК-2	Способен управлять проектом на всех этапах его жизненного цикла	УК-2.1 Формулирует в рамках обозначенной проблемы цели, задачи, актуальность,	методологию реализации проекта, этапы, виды, струк-	формулировать в рамках обозначенной проблемы цели, зада-	Навыками поиска возможных сфер применения ожидаемых в ре-

			значимость (научную, практическую, методическую и иную в зависимости от типа проекта), ожидаемые результаты и возможные сферы их применения	туру научной проектной деятельности	чи, актуальность, значимость, ожидаемые результаты	зультате реализации проекта результатов
5.	УК-4	Способен применять современные коммуникативные технологии, в том числе на иностранном(ых) языке(ах), для академического и профессионального взаимодействия	УК-4.1 Осуществляет написание, перевод и редактирование различных академических текстов (рефератов, эссе, обзоров, статей и т.д.)	принципы написания, перевода и редактирования различных академических текстов	писать, переводить и редактировать различные академические тексты	навыками академического письма, в том числе на иностранном(ых) языке(ах)
6.	ПКос-1	Способен использовать цифровые средства и технологии, современные достижения нано- и биотехнологий, молекулярной биологии в сельском хозяйстве, экологии и медицине	ПКос-1-1 Владеет актуальной информацией о возможностях применения разработок в области нано- и биотехнологий, молекулярной биологии в различных отраслях экономики; использует цифровые средства и технологии	актуальную информацию о возможностях применения разработок в области нано- и биотехнологий, молекулярной биологии в различных отраслях экономики	использовать цифровые средства и технологии	Навыками извлечения актуальной информации о возможностях применения разработок в области нано- и биотехнологий, молекулярной биологии в различных отраслях экономики из различных источников
7.			ПКос-1-2 Самостоятельно выполняет исследования в области сельского хозяйства, экологии и медицины с применением современных методов и оборудования нано- и биотехнологий, молекулярной биологии, цифровых средств и технологий	актуальные проблемы сельского хозяйства, экологии и медицины	самостоятельно выполнять исследования в области сельского хозяйства, экологии и медицины	Навыками применения современных методов и оборудования нано- и биотехнологий, молекулярной биологии, цифровых средств и технологий
8.			ПКос-1-3 Разрабатывает и	современные мето-	разрабатывать и со-	Навыками применения

			усовершенствует современные методы нано- и биотехнологий, молекулярной биологии при научных исследованиях в различных областях сельского хозяйства, экологии и медицины	ды нано- и биотехнологий, молекулярной биологии	вершенствовать современные методы нано- и биотехнологий, молекулярной биологии	различных методов при научных исследованиях в различных областях сельского хозяйства, экологии и медицины
--	--	--	---	---	--	---

4. Структура и содержание дисциплины

4.1 Распределение трудоёмкости дисциплины по видам работ по семестрам

Общая трудоёмкость дисциплины составляет 3 зач. ед. (108 часов), их распределение по видам работ семестрам представлено в таблице 2.

Таблица 2

Распределение трудоёмкости дисциплины по видам работ по семестрам

Вид учебной работы	Трудоёмкость	
	час. всего/*	в т.ч. по семестрам
		№ 3
Общая трудоёмкость дисциплины по учебному плану	108/4	108/4
1. Контактная работа:	46,4/4	46,4/4
Аудиторная работа	46,4/4	46,4/4
<i>в том числе:</i>		
<i>лекции (Л)</i>	14	14
<i>практические занятия (ПЗ)</i>	30/4	30/4
<i>консультации перед экзаменом</i>	2	2
<i>контактная работа на промежуточном контроле (КРА)</i>	0,4	0,4
2. Самостоятельная работа (СРС)	61,6	61,6
<i>самостоятельное изучение разделов, самоподготовка (проработка и повторение лекционного материала и материала учебников и учебных пособий, подготовка к лабораторным и практическим занятиям, коллоквиумам и т.д.)</i>	37	37
<i>подготовка к экзамену (контроль)</i>	24,6	24,6
Вид промежуточного контроля:	Экзамен	

4.2 Содержание дисциплины

Таблица 3

Тематический план учебной дисциплины

Наименование разделов и тем дисциплин (укрупнено)	Всего	Аудиторная работа			Внеаудиторная работа СР
		Л	ПЗ/С всего/*	ПКР	
Раздел 1 «Биологические базы данных и выравнивание последовательностей»	25	4	10/4	-	11
Тема 1.1. Биологические базы данных	12	2	4	-	6
Тема 1.2. Выравнивание последовательностей	13	2	6/4	-	5
Раздел 2 «Предсказание генов и промоторов. Молекулярная филогенетика»	22	4	8	-	10
Тема 2.1. Предсказание генов, промоторов и регуляторных элементов	11	2	4	-	5
Тема 2.2. Молекулярная филогенетика	11	2	4	-	5
Раздел 3 «Структурная биоинформати-	34	6	12	-	16

Наименование разделов и тем дисциплин (укрупнено)	Всего	Аудиторная работа			Внеаудиторная работа СР
		Л	ПЗ/С всего/*	ПКР	
ка»					
Тема 3.1. Визуализация, сравнение и классификация структур протеинов	12	2	4	-	6
Тема 3.2. Предсказание структуры протеинов	11	2	4	-	5
Тема 3.3. Предсказание структуры РНК	11	2	4	-	5
<i>консультации перед экзаменом</i>	2		-	2	-
<i>контактная работа на промежуточном контроле (КРА)</i>	0,4		-	0,4	-
<i>подготовка к экзамену (контроль)</i>	24,6	-	-	-	24,6
Итого по дисциплине	108	14	30	2,4	61,6

Раздел 1 «Биологические базы данных и выравнивание последовательностей»

Тема 1.1. Биологические базы данных

Биоинформатика: цель, возможности, применение, ограничения. Базы данных. Типы баз данных. Биологические базы данных. Извлечение информации из биологических баз данных.

Тема 1.2. Выравнивание последовательностей

Основы эволюции. Гомология, подобие и идентичность последовательностей. Методы. Матрица весов. Статистическая значимость выравнивания последовательностей. Специфичные требования к поиску в базах данных. Эвристический поиск в базах данных. Basic Local Alignment Search Tool (BLAST). FASTA. Сравнение FASTA и BLAST. Поиск в базе данных методом Смита-Уотермана. Функция придания весов. Алгоритмы полного перебора. Эвристические алгоритмы.

Раздел 2 «Предсказание генов и промоторов. Молекулярная филогенетика»

Тема 2.1. Предсказание генов, промоторов и регуляторных элементов

Категории программ предсказания генов. Предсказание генов в прокариотах. Предсказание генов в эукариотах. Промотор и регуляторные элементы в прокариотах. Промотор и регуляторные элементы в эукариотах. Алгоритмы предсказания.

Тема 2.2. Молекулярная филогенетика

Молекулярная эволюция и молекулярная филогенетика. Терминология. Филогения генов vs. филогения видов. Формы представления деревьев. Почему сложно найти правильное дерево? Процедура. Методы, основанные на расстоянии. Методы, основанные на при-

знаках. Оценка филогенетических деревьев. Филогенетические программы.

Раздел 3 «Структурная биоинформатика»

Тема 3.1. Визуализация, сравнение и классификация структур протеинов
Аминокислоты. Формирование пептидов. Двугранные углы. Иерархия. Вторичные структуры. Третичные структуры. Определение трехмерной структуры протеинов. База данных структур протеинов. Визуализация структур протеинов. Сравнение структур протеинов. Классификация структур протеинов.

Тема 3.2. Предсказание структуры протеинов
Предсказание вторичной структуры глобулярных протеинов. Предсказание вторичной структуры трансмембранных протеинов. Предсказание суперспирали. Моделирование гомологии. Распознавание протягивания и свертывания. Предсказание структуры протеина *ab initio*. CASP.

Тема 3.3. Предсказание структуры РНК
Введение. Типы структур РНК. Методы предсказания вторичной структуры РНК. Подходы *ab initio*. Сравнительные подходы. Оценка представления.

4.3 Лекции, практические занятия

Таблица 4

Содержание лекций, практических занятий и контрольные мероприятия

№ п/п	№ раздела	№ и название лекций и лабораторных занятий	Формируемые компетенции	Вид контрольного мероприятия	Кол-во Часов/из них практическая подготовка
1.	Раздел 1. Биологические базы данных и выравнивание последовательностей				
	Тема 1.1. Биологические базы данных	Лекция № 1 «Биоинформатика: цель, возможности, применение, ограничения.»	УК-1.1, УК-1.3, УК-1.4, УК-2.1, УК-4.1	-	2
		Практическое занятие № 1 «Биологические базы данных»	УК-1.1, УК-1.3, УК-1.4, УК-2.1, УК-4.1	опрос по теме занятия тестирование	4
	Тема 1.2. Выравнивание последовательностей	Лекция № 2 «Гомология, подобие и идентичность последовательностей.»	УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3	-	2
		Практическое занятие № 2	УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2,	опрос по теме занятия	6/4

№ п/п	№ раздела	№ и название лекций и лабораторных занятий	Формируемые компетенции	Вид контрольного мероприятия	Кол-во Часов/из них практическая подготовка
		«BLAST и алгоритмы»	ПКос-1.3	выполнение практического задания	
2.	Раздел 2. Предсказание генов и промоторов. Молекулярная филогенетика				
	Тема 2.1. Предсказание генов, промоторов и регуляторных элементов	Лекция № 3 «Предсказание генов, промоторов и регуляторных элементов»	УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3	-	2
		Практическое занятие № 3 «Предсказание генов, промоторов и регуляторных элементов»	УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3	опрос по теме занятия	4
	Тема 2.2. Молекулярная филогенетика	Лекция № 4 «Молекулярная филогенетика»	УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3	-	2
		Практическое занятие № 4 «Молекулярная филогенетика»	УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3	опрос по теме занятия	4
3.	Раздел 3. Структурная биоинформатика				
	Тема 3.1. Визуализация, сравнение и классификация структур протеинов	Лекция № 5 «Визуализация, сравнение и классификация структур протеинов»	УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3	-	2
		Практическое занятие № 5 «Визуализация, сравнение и классификация структур протеинов»	УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3	опрос по теме занятия	4
	Тема 3.2. Предсказание структуры протеинов	Лекция № 6 «Предсказание структуры протеинов»	УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3	-	2
		Практическое занятие № 6 «Предсказание структуры протеинов»	УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3	опрос по теме занятия	4
	Тема 3.3. Предсказание структуры РНК	Лекция № 7 «Предсказание структуры РНК»	УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3	-	2
		Практическое занятие № 7 «Предсказание структуры РНК»	УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3	опрос по теме занятия	4

Таблица 5

Перечень вопросов для самостоятельного изучения дисциплины

№ п/п	№ раздела и темы	Перечень рассматриваемых вопросов для самостоятельного изучения
Раздел 1 «Биологические базы данных и выравнивание последовательностей»		
1.	Тема 1.1. Биологические базы данных	Базы данных. Типы баз данных. Биологические базы данных. Извлечение информации из биологических баз данных. (УК-1.1, УК-1.3, УК-1.4, УК-2.1, УК-4.1)
2.	Тема 1.2. Выравнивание последовательностей	Матрица весов. Статистическая значимость выравнивания последовательностей. Специфичные требования к поиску в базах данных. Эвристический поиск в базах данных. Basic Local Alignment Search Tool (BLAST). FASTA. Сравнение FASTA и BLAST. Поиск в базе данных методом Смита-Уотермана. Функция придания весов. Алгоритмы полного перебора. Эвристические алгоритмы. (УК-1.1, УК-1.3, УК-1.4, УК-2.1, УК-4.1)
Раздел 2 «Предсказание генов и промоторов. Молекулярная филогенетика»		
3.	Тема 2.1. Предсказание генов, промоторов и регуляторных элементов	Категории программ предсказания генов. Предсказание генов в прокариотах. Предсказание генов в эукариотах. Промотор и регуляторные элементы в прокариотах. Промотор и регуляторные элементы в эукариотах. Алгоритмы предсказания. (УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3)
4.	Тема 2.2. Молекулярная филогенетика	Молекулярная эволюция и молекулярная филогенетика. Терминология. Филогения генов vs. филогения видов. Формы представления деревьев. Почему сложно найти правильное дерево? Процедура. Методы, основанные на расстоянии. Методы, основанные на признаках. Оценка филогенетических деревьев. Филогенетические программы. (УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3)
Раздел 3 «Структурная биоинформатика»		
5.	Тема 3.1. Визуализация, сравнение и классификация структур протеинов	Аминокислоты. Формирование пептидов. Двугранные углы. Иерархия. Вторичные структуры. Третичные структуры. Определение трехмерной структуры протеинов. База данных структур протеинов. Визуализация структур протеинов. Сравнение структур протеинов. Классификация структур протеинов. (УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3)
6.	Тема 3.2. Предсказание структуры протеинов	Предсказание вторичной структуры глобулярных протеинов. Предсказание вторичной структуры трансмембранных протеинов. Предсказание суперспирали. Моделирование гомологии. Распознавание протягивания и свертывания. Предсказание структуры протеина <i>ab initio</i> . CASP. (УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3)
7.	Тема 3.3. Предсказание структуры РНК	Введение в предсказание структуры РНК. Типы структур РНК. Методы предсказания вторичной структуры РНК. Подходы <i>ab initio</i> . Сравнительные подходы. Оценка представления. (УК-4.1, ПКос-1.1, ПКос-1.2, ПКос-1.3)

5. Образовательные технологии

Таблица 6

Применение активных и интерактивных образовательных технологий

№ п/п	Тема и форма занятия		Наименование используемых активных и интерактивных обра- зовательных технологий (форм обучения)
1.	Биоинформатика: цель, возможности, применение, ограничения	Л	лекция-дискуссия
2.	Биологические базы данных	ПЗ	мозговой штурм
3.	Визуализация, сравнение и классификация структур протеинов	ПЗ	мозговой штурм
4.	Предсказание структуры протеинов	ПЗ	мозговой штурм
5.	Предсказание структуры РНК	ПЗ	мозговой штурм

6. Текущий контроль успеваемости и промежуточная аттестация по итогам освоения дисциплины

6.1. Типовые контрольные задания или иные материалы, необходимые для оценки знаний, умений и навыков и (или) опыта деятельности

6.1.1. Примерные вопросы для обсуждения на практических занятиях

Практическое занятие № 1 «Биологические базы данных»

1. Типы баз данных.
2. Биологические базы данных.
3. Извлечение информации из биологических баз данных

Практическое занятие № 2 «BLAST и алгоритмы»

1. Матрица весов.
2. Basic Local Alignment Search Tool (BLAST).
3. Алгоритмы полного перебора.
4. Эвристические алгоритмы.

Практическое занятие № 3 «Предсказание генов, промоторов и регуляторных элементов»

1. Предсказание генов в прокариотах.
2. Предсказание генов в эукариотах.
3. Промотор и регуляторные элементы в прокариотах.
4. Промотор и регуляторные элементы в эукариотах.

Практическое занятие № 4 «Молекулярная филогенетика»

1. Молекулярная эволюция и молекулярная филогенетика.
2. Методы, основанные на расстоянии.
3. Методы, основанные на признаках.
4. Оценка филогенетических деревьев.

Практическое занятие № 5 «Визуализация, сравнение и классификация структур протеинов»

1. Аминокислоты. Формирование пептидов.
2. Вторичные структуры. Третичные структуры.

3. Определение трехмерной структуры протеинов.
4. База данных структур протеинов.

Практическое занятие № 6 «Предсказание структуры протеинов»

1. Предсказание вторичной структуры глобулярных протеинов.
2. Предсказание вторичной структуры трансмембранных протеинов.
3. Предсказание структуры протеина *ab initio*.

Практическое занятие № 7 «Предсказание структуры РНК»

1. Типы структур РНК.
2. Методы предсказания вторичной структуры РНК.
3. Сравнительные подходы.

6.1.2. Примерные тестовые вопросы

1. Какие виды аннотирования различают?

- а) автоматическое
- б) полуавтоматическое
- в) ручное
- г) все перечисленные виды

2. В каком журнале регулярно публикуется информация о биологических базах данных?

- а) Lancet
- б) Nucleic Acids Research
- в) Nature
- г) Biochemistry

3. Какая из перечисленных баз данных предоставляет информацию о метаболических путях?

- а) PDB
- б) GenBank
- в) UniProt
- г) KEGG

6.1.3. Перечень вопросов, выносимых на промежуточную аттестацию (экзамен):

1. Биоинформатика: цель, возможности, применение, ограничения.
2. Базы данных. Типы баз данных.
3. Биологические базы данных.
4. Извлечение информации из биологических баз данных.
5. Гомология, подобие и идентичность последовательностей.
6. Матрица весов. Статистическая значимость выравнивания последовательностей.
7. Эвристический поиск в базах данных.
8. Basic Local Alignment Search Tool (BLAST).

9. Формат FASTA.
10. Алгоритмы полного перебора.
11. Категории программ предсказания генов.
12. Предсказание генов в про- и эукариотах.
13. Промотор и регуляторные элементы в про- и эукариотах.
14. Молекулярная эволюция и молекулярная филогенетика.
15. Филогения генов vs. филогения видов.
16. Формы представления филогенетических деревьев.
17. Методы построения филогенетических деревьев, основанные на рас-
стоянии.
18. Методы построения филогенетических деревьев, основанные на при-
знаках.
19. Оценка филогенетических деревьев.
20. Филогенетические программы.
21. Уровни структуры протеинов.
22. База данных структур протеинов.
23. Визуализация структур протеинов.
24. Сравнение структур протеинов. Классификация структур протеинов.
25. Предсказание вторичной структуры глобулярных протеинов.
26. Предсказание вторичной структуры трансмембранных протеинов.
27. Предсказание суперспирали.
28. Моделирование гомологии.
29. Распознавание протягивания и свертывания.
30. Предсказание структуры протеина *ab initio*.
31. Типы структур РНК.
32. Методы предсказания вторичной структуры РНК.
33. Подходы предсказания вторичной структуры РНК *ab initio*.
34. Сравнительные подходы предсказания вторичной структуры РНК.
35. Оценка представления вторичной структуры РНК.
36. Биоинформатика в биотехнологии.

6.2. Описание показателей и критериев контроля успеваемости, описание шкал оценивания

Для оценки знаний, умений, навыков и формирования компетенции по дисциплине применяется **традиционная** система контроля и оценки успеваемости студентов.

Экзамен – «отлично», «хорошо», «удовлетворительно», «неудовлетворительно».

Критерии оценивания результатов обучения

Таблица 7

Оценка	Критерии оценивания
Высокий уровень «5» (отлично)	оценку «отлично» заслуживает студент, освоивший знания, умения, компетенции и теоретический материал без пробелов; выполнивший все задания, предусмотренные учебным планом на высоком качественном уровне; практические навыки профессионально-

	го применения освоенных знаний сформированы. Компетенции, закреплённые за дисциплиной, сформированы на уровне – высокий.
Средний уровень «4» (хорошо)	оценку «хорошо» заслуживает студент, практически полностью освоивший знания, умения, компетенции и теоретический материал, учебные задания не оценены максимальным числом баллов, в основном сформировал практические навыки. Компетенции, закреплённые за дисциплиной, сформированы на уровне – хороший (средний).
Пороговый уровень «3» (удовлетворительно)	оценку «удовлетворительно» заслуживает студент, частично с пробелами освоивший знания, умения, компетенции и теоретический материал, многие учебные задания либо не выполнил, либо они оценены числом баллов близким к минимальному, некоторые практические навыки не сформированы. Компетенции, закреплённые за дисциплиной, сформированы на уровне – достаточный.
Минимальный уровень «2» (неудовлетворительно)	оценку «неудовлетворительно» заслуживает студент, не освоивший знания, умения, компетенции и теоретический материал, учебные задания не выполнил, практические навыки не сформированы. Компетенции, закреплённые за дисциплиной, не сформированы.

7. Учебно-методическое и информационное обеспечение дисциплины

7.1 Основная литература

1. Смиряев, А. В. Основы биоинформатики : учебное пособие для подготовки магистров по напр. «Агрономия»: молекулярная генетика; математическое моделирование; информатика / А. В. Смиряев, Л. К. Панкина ; Московская сельскохозяйственная академия им. К. А. Тимирязева. – М. : МСХА, 2008. 102 с.

2. Глазко В. И. Толковый словарь терминов по общей и молекулярной биологии, общей и прикладной генетике, селекции, ДНК-технологии и биоинформатике : в 2 т. / В. И. Глазко, Г. В. Глазко. – Москва : Академкнига, 2008. - ISBN 978-5-94628-255-0. - ISBN 978-5-9784-0002-1. – Текст : непосредственный. – Т. 2 : П-Я словарь. – 2008. – 530 с.

3. Глазко, В. И. толковый словарь терминов по обще и молекулярной биологии, общей и прикладной генетики, селекции, ДНК-технологии и биоинформатике : в 2 т. / В. И. Глазко, Г. В. Глазко. – Москва : Академкнига, 2008. – ISBN 978-5-9784-0002-1. – Т. 1 : А –О словарь. – 2008. – 670 с.

7.2 Дополнительная литература

1. Каменская, М. А. Информационная биология : учеб. пособие для студентов вузов, обучающихся по направлению подгот. бакалавров и магистров 020200 «Биология» и биол. специальностям / М. А. Каменская. – М. : Academia, 2006. – 360, [1] с.

2. Проблемы и перспективы молекулярной генетики / Институт молекулярной генетики (Москва); ред. Е. Д. Свердлов. – М. : Наука, 2003. – Т. 1. – 2003. – 372 с.

3. Молекулярно-генетические и биохимические методы в современной биологии растений / под ред. Вл. В. Кузнецова, В. В. Кузнецова, Г. А. Романова. - М. : БИНОМ. Лаборатория знаний, 2011. – 487 с.

7.3 Методические указания, рекомендации и другие материалы к занятиям

1. Бородовский, М. Задачи и решения по анализу биологических последовательностей / М. Бородовский, С. Екишева. – М.-Ижевск: НИЦ «Регулярная и хаотическая динамика», Ижевский институт компьютерных исследований, 2008. – 440 с.

8. Перечень ресурсов информационно-телекоммуникационной сети «Интернет», необходимых для освоения дисциплины

1. <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/> - National Center of Biotechnology Information
2. <https://www.embl.org/> - European Molecular Biology laboratory
3. <https://www.uniprot.org/> - UniProt
4. <http://www.insdc.org/> - International Nucleotide Sequence Database Collaboration

9. Описание материально-технической базы, необходимой для осуществления образовательного процесса по дисциплине

Таблица 8

Сведения об обеспеченности специализированными аудиториями, кабинетами, лабораториями

Наименование специальных помещений и помещений для самостоятельной работы (№ учебного корпуса, № аудитории)	Оснащенность специальных помещений и помещений для самостоятельной работы
1	2
Учебная лаборатория для проведения занятий семинарского типа, групповых и индивидуальных консультаций, текущего контроля и промежуточной аттестации (Учебный корпус № 37, аудитории № 212, 303-308, 314)	Система очистки воды Hydrurus Ultra Flow, № 410124000603648 Комплект оборудования для очистки и обеззараживания воздуха, № 410124000603649 Стерилизатор паровой форвакуумный СПГА-100-1-НН В, №210124558132517 Бокс микробиологический безопасности БМБ-II «Ламинар-С» по ТУ 32.50.50-010-51495026-2020 в исполнении: БМБ-II-«Ламинар-С»-1,5, № 210124558132419, № 210124558132418, № 210124558132420, № 210124558132421, № 210124558132422 Климатическая камера «Лаборатория биофотоники», № 410124000603662, № 410124000603663 Комплект климатических установок (фитотрон), № 210124558132659, № 210124558132660 Комплекс контролируемого фотонного излучения для роста растений (люминесцентный), № 410124000603660 Шейкер - инкубатор с охлаждением CRYSTE, модель PURICELL_SHAKING X10, № 410124000603688 Спектрофотометр K5500Plus, Drawell № 410124000603673 Ллиофильная сушилка, LFD-10A, Laboao, № 410124000603685

	Комплект лабораторного оборудования пробо- подготовки для биотехнологических исследова- ний, № 410124000603692 Центрифуга лабораторная с охлаждением TGL18C, Nanbei, № 410124000603681 Льдогенератор XB-50, Scientz, № 410124000603690 Амплификатор детектирующий "ДТпрайм" по ТУ 9443- 004-96301278-2010 в модификации 5М6, № 410124000603637, № 410124000603638 Гельдокументирующая система QUANTUM-CX5 Edge - Epi UV PadBox, № 410124000603639 Гомогенизатор лабораторный RCP 24, № 410124000603640 Электропоратор для клеток эукариот, прокариот и растений CRY-3B, Scientz, № 410124000603691 Термостат Binder, №210134000004208 Интерактивная панель, № 410124000603731 Рабочая станция с предустановленным программ- ным обеспечением, № 210134000018973 Рабочая станция, № 210134000019227- 210134000019242
Центральная научная библиотека имени Н.И. Железнова. Читальные залы биб- лиотеки.	

10. Методические рекомендации студентам по освоению дисциплины

Для успешного усвоения каждой из тем дисциплины «Биоинформатика» студент должен внимательно прослушать и законспектировать лекцию по конкретной теме, подготовиться к ответу на практическом занятии, выполнить домашнее задание.

Для конспектирования лекций рекомендуется завести отдельную тетрадь из 96 листов. Конспект каждой лекции следует начинать с названия темы лекции и указания даты ее проведения. Все заголовки разделов лекции следует четко выделять, например, подчеркиванием. Во время лекции следует внимательно следить за ходом мысли лектора и записывать важнейшие определения, разъяснения, формулы, термины. Также нужно стараться воспроизводить в конспекте рисунки и таблицы, которые демонстрирует лектор. При самостоятельной работе студента с конспектом лекций следует осуществлять самопроверку, то есть следить за тем, чтобы освоенным оказался весь материал, изложенный в лекции. Материал, который кажется студенту недостаточно понятным, следует проработать по учебнику и воспользоваться помощью преподавателя на консультациях. Работать с конспектом лекций следует еженедельно, внося в него свои дополнения, замечания и вопросы (для этого в тетради следует оставлять широкие поля).

Для подготовки и фиксирования практических работ следует завести лабораторный журнал (тетрадь). При подготовке к практическому занятию необходимо составить краткий (1-2 страницы) конспект теоретического материала,

на котором основано данное практическое занятие. Для подготовки конспекта используют практикум, главы или разделы учебника, рекомендованные преподавателем и конспект лекций.

Виды и формы отработки пропущенных занятий

Студент, пропустивший лекцию, представляет конспект по теме лекции. При пропуске практического занятия студент представляет конспект по теме занятия. Оценка конспектов – зачтено, не зачтено.

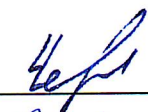
11. Методические рекомендации преподавателям по организации обучения по дисциплине

Главная задача дисциплины «Биоинформатика» - сформировать у студентов целостное представление о принципах и методах биоинформатики.

При преподавании дисциплины необходимо ориентироваться на современные образовательные и информационные технологии. Необходимо проводить устный опрос студентов и контролировать выполнение заданий. Контрольные вопросы выдаются студентам по разделам и темам непосредственно перед их изучением. Акцент делается на активные методы обучения на практических занятиях и интерактивной форме обучения.

Программу разработали:

Чередниченко М.Ю., канд. биол. наук, доцент



Хлебникова Д.А., канд. биол. наук, доцент



РЕЦЕНЗИЯ

на рабочую программу дисциплины Б1.В.04 «Биоинформатика»
ОПОП ВО по направлению 19.04.01 – «Биотехнология», направленность

«Биотехнология и молекулярная биология» (квалификация выпускника – магистр)

Тарakanовым Иваном Германовичем, профессором кафедры физиологии растений ФГБОУ ВО «Российский государственный аграрный университет – МСХА имени К.А. Тимирязева, доктором биологических наук (далее по тексту рецензент), проведена рецензия рабочей программы дисциплины «Биоинформатика» ОПОП ВО по направлению 19.04.01 – «Биотехнология», направленность «Биотехнология и молекулярная биология» (магистратура), разработанной в ФГБОУ ВО «Российский государственный аграрный университет – МСХА имени К.А. Тимирязева», на кафедре биотехнологии (разработчики – Чередниченко Михаил Юрьевич, доцент кафедры биотехнологии, кандидат биологических наук, Хлебникова Дарья Анатольевна, доцент кафедры биотехнологии, кандидат биологических наук).

Рассмотрев представленные на рецензию материалы, рецензент пришел к следующим выводам:

1. Предъявленная рабочая программа дисциплины «Биоинформатика» (далее по тексту Программа) соответствует требованиям ФГОС по направлению 19.04.01 – «Биотехнология». Программа содержит все основные разделы, соответствует требованиям к нормативно-методическим документам.

2. Представленная в Программе актуальность учебной дисциплины в рамках реализации ОПОП ВО не подлежит сомнению – дисциплина относится к вариативной части учебного цикла – Б1.В.

3. Представленные в Программе цели дисциплины соответствуют требованиям ФГОС направления 19.04.01 – «Биотехнология».

4. В соответствии с Программой за дисциплиной «Биоинформатика» закреплено 4 компетенции (8 индикаторов). Дисциплина «Биоинформатика» и представленная Программа способна реализовать их в объявленных требованиях.

5. Результаты обучения, представленные в Программе в категориях знать, уметь, владеть соответствуют специфике и содержанию дисциплины и демонстрируют возможность получения заявленных результатов.

6. Общая трудоёмкость дисциплины «Биоинформатика» составляет 3 зачётных единицы (108 часов).

7. Информация о взаимосвязи изучаемых дисциплин и вопросам исключения дублирования в содержании дисциплин соответствует действительности. Дисциплина «Биоинформатика» взаимосвязана с другими дисциплинами ОПОП ВО и Учебного плана по направлению 19.04.01 – «Биотехнология» и возможность дублирования в содержании отсутствует. Поскольку дисциплина не предусматривает наличие специальных требований к входным знаниям, умениям и компетенциям студента, хотя может являться предшествующей для специальных, в том числе профессиональных дисциплин, использующих знания в области биотехнологии и селекции в профессиональной деятельности магистра по данному направлению подготовки.

8. Представленная Программа предполагает использование современных образовательных технологий, используемые при реализации различных видов учебной работы. Формы образовательных технологий соответствуют специфике дисциплины.

9. Программа дисциплины «Биоинформатика» предполагает проведение занятий в интерактивной форме.

10. Виды, содержание и трудоёмкость самостоятельной работы студентов, представленные в Программе, соответствуют требованиям к подготовке выпускников, содержащимся во ФГОС ВО направления 19.04.01 – «Биотехнология».

11. Представленные и описанные в Программе формы текущей оценки знаний (опрос в форме обсуждения отдельных вопросов), соответствуют специфике дисциплины и требованиям к выпускникам.

Форма промежуточного контроля знаний студентов, предусмотренная Программой, осуществляется в форме зачета с оценкой, что соответствует статусу дисциплины, как дисциплины вариативной части учебного цикла – Б1.В. ФГОС направления 19.04.01 – «Биотехнология».

12. Формы оценки знаний, представленные в Программе, соответствуют специфике дисциплины и требованиям к выпускникам.

13. Учебно-методическое обеспечение дисциплины представлено: основной литературой – 3 источника (базовых учебника), дополнительной литературой – 2 наименования и соответствует требованиям ФГОС направления 19.04.01 – «Биотехнология».

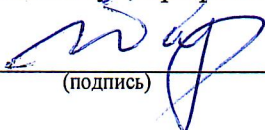
14. Материально-техническое обеспечение дисциплины соответствует специфике дисциплины «Биоинформатика» и обеспечивает использование современных образовательных, в том числе интерактивных методов обучения.

15. Методические рекомендации студентам и методические рекомендации преподавателям по организации обучения по дисциплине дают представление о специфике обучения по дисциплине «Биоинформатика».

ОБЩИЕ ВЫВОДЫ

На основании проведенной рецензии можно сделать заключение, что характер, структура и содержание рабочей программы дисциплины «Биоинформатика» ОПОП ВО по направлению 19.04.01 – «Биотехнология», направленность «Биотехнология и молекулярная биология» (квалификация выпускника – магистр), разработанная Чередниченко М.Ю., доцентом кафедры биотехнологии ФГБОУ ВО «Российский государственный аграрный университет – МСХА имени К.А. Тимирязева», кандидатом биологических наук, Хлебниковой Д.А., доцентом кафедры биотехнологии ФГБОУ ВО «Российский государственный аграрный университет – МСХА имени К.А. Тимирязева», кандидатом биологических наук соответствует требованиям ФГОС ВО, современным требованиям экономики, рынка труда и позволит при её реализации успешно обеспечить формирование заявленных компетенций.

Рецензент: Тараканов И.Г., профессор кафедры физиологии растений ФГБОУ ВО «Российский государственный аграрный университет – МСХА имени К.А. Тимирязева», доктор биологических наук, профессор


(подпись)

« 30 » 08 2024 г.