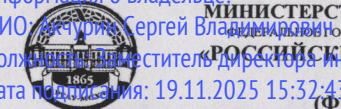


Документ подписан простой электронной подписью

Информация о владельце:



МИНИСТЕРСТВО СЕЛЬСКОГО ХОЗЯЙСТВА РОССИЙСКОЙ ФЕДЕРАЦИИ
ФЕДЕРАЛЬНОЕ ГОСУДАРСТВЕННОЕ БЮДЖЕТНОЕ ОБРАЗОВАТЕЛЬНОЕ УЧРЕЖДЕНИЕ ВЫСШЕГО ОБРАЗОВАНИЯ
Должность: заместитель директора института зоотехники и биологии
«РОССИЙСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ АГРАРНЫЙ УНИВЕРСИТЕТ –
МСХА имени К.А. ТИМИРЯЗЕВА»
Дата подписания: 19.11.2025 15:32:43
Уникальный программный ключ:

7abcc100773ae7c9cceb4a7a083ff3fbfbf160d2a

Институт зоотехнии и биологии

Кафедра разведения, генетики и биотехнологии животных

УТВЕРЖДАЮ:

И.о. директора института зоотехнии
и биологии, доцент
д.в.н. Акуурин С.В.



“ 90 ” 06 2025 г.

РАБОЧАЯ ПРОГРАММА ДИСЦИПЛИНЫ
Б1.В.ДВ.02.01. Основы геномики и биоинформатики

для подготовки магистров

ФГОС ВО

Направление: 36.04.02 – Зоотехния

Профиль:

«Генетические методы и биоинформатика в племенном животноводстве»

Курс 1
Семестр 1

Форма обучения: очная

Год начала подготовки: 2025

Москва, 2025

Разработчики: Гладких Марианна Юрьевна, к.с.-х.н., доцент
Селионова Марина Ивановна, д.б.н., профессор

« 17 06 2025 г.

Рецензент: Османиян А.К., д.с.-х.н., профессор
(ФИО, ученая степень, ученое звание)

Асманиян
(подпись)
« 17 06 2025 г.

Программа составлена в соответствии с требованиями ФГОС ВО, ОПОП по
направлению подготовки 36.04.02 – Зоотехния и учебного плана

Программа обсуждена на заседании
кафедры разведения, генетики и биотехнологии животных
протокол № 13 от « 13 » 06 2025 г.

И.о. зав. кафедрой Гладких М.Ю., к.с.-х.н., доцент
(ФИО, ученая степень, ученое звание)

Гладких
« 13 06 20 20 г.

Согласовано:
Председатель учебно-методической
комиссии института Маннапоа А.Г., д.б.н., профессор
(ФИО, ученая степень, ученое звание)

Маннапоа
« 30 06 20 20 г.

И.о. зав. кафедрой выпускающей кафедрой разведения, генетики и биотехнологии животных
Гладких М.Ю., к.с.-х.н., доцент
(ФИО, ученая степень, ученое звание)

Гладких
« 13 06 20 20 г.

Зав.отделом комплектования ЦНБ *Мусев* *Суторова Л.А.*

СОДЕРЖАНИЕ

| | |
|---|-----------|
| АННОТАЦИЯ..... | 4 |
| 1. ЦЕЛЬ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ..... | 4 |
| 2. МЕСТО ДИСЦИПЛИНЫ В УЧЕБНОМ ПРОЦЕССЕ | 5 |
| 3. ПЕРЕЧЕНЬ ПЛАНИРУЕМЫХ РЕЗУЛЬТАТОВ ОБУЧЕНИЯ ПО ДИСЦИПЛИНЕ, СООТНЕСЕННЫХ С ПЛАНИРУЕМЫМИ РЕЗУЛЬТАТАМИ ОСВОЕНИЯ ОБРАЗОВАТЕЛЬНОЙ ПРОГРАММЫ..... | 5 |
| 4. СТРУКТУРА И СОДЕРЖАНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ | 7 |
| 4.1 РАСПРЕДЕЛЕНИЕ ТРУДОЁМКОСТИ ДИСЦИПЛИНЫ ПО ВИДАМ РАБОТ ПО СЕМЕСТРАМ | 7 7 |
| 4.2 СОДЕРЖАНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ..... | 7 |
| 4.3 ЛЕКЦИИ/ЛАБОРАТОРНЫЕ/ПРАКТИЧЕСКИЕ/СЕМИНАРСКИЕ ЗАНЯТИЯ..... | 10 |
| 5. ОБРАЗОВАТЕЛЬНЫЕ ТЕХНОЛОГИИ | 11 |
| 6. ТЕКУЩИЙ КОНТРОЛЬ УСПЕВАЕМОСТИ И ПРОМЕЖУТОЧНАЯ АТТЕСТАЦИЯ ПО ИТОГАМ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ | 12 |
| 6.1. Типовые контрольные задания или иные материалы, необходимые для оценки знаний, умений и навыков (или) опыта деятельности | 12 |
| 6.2. Описание показателей и критерии контроля успеваемости, описание шкал оценивания | 14 |
| 7. УЧЕБНО-МЕТОДИЧЕСКОЕ И ИНФОРМАЦИОННОЕ ОБЕСПЕЧЕНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ..... | 15 |
| 7.1 Основная литература | 15 |
| 7.3 Методические указания, рекомендации и другие материалы к занятиям..... | 16 |
| 8. ПЕРЕЧЕНЬ РЕСУРСОВ ИНФОРМАЦИОННО-ТЕЛЕКОММУНИКАЦИОННОЙ СЕТИ «ИНТЕРНЕТ», НЕОБХОДИМЫХ ДЛЯ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ..... | 16 |
| 10. ОПИСАНИЕ МАТЕРИАЛЬНО-ТЕХНИЧЕСКОЙ БАЗЫ, НЕОБХОДИМОЙ ДЛЯ ОСУЩЕСТВЛЕНИЯ ОБРАЗОВАТЕЛЬНОГО ПРОЦЕССА ПО ДИСЦИПЛИНЕ..... | 16 |
| 11. МЕТОДИЧЕСКИЕ РЕКОМЕНДАЦИИ СТУДЕНТАМ ПО ОСВОЕНИЮ ДИСЦИПЛИНЫ..... | 17 |
| Виды и формы отработки пропущенных занятий | 18 |
| 12. МЕТОДИЧЕСКИЕ РЕКОМЕНДАЦИИ ПРЕПОДАВАТЕЛЯМ ПО ОРГАНИЗАЦИИ ОБУЧЕНИЯ ПО ДИСЦИПЛИНЕ..... | 18 |

Аннотация

Цель освоения дисциплины: Целью освоения дисциплины «Основы геномики и биоинформатики» является подготовка высокопрофессиональных специалистов в области племенного животноводства. Курс ориентирован на формирование основополагающих представлений о биоинформатике; знакомство с соответствующими вычислительными инструментами, обобщающими многочисленные экспериментальные работы по системной и молекулярной биологии, генетике и др.; знакомство с методологией разработки алгоритмов компьютерного анализа данных геномики; базовое освоение программных продуктов. Содержание курса направлено также на формирование у студентов современного естественнонаучного мировоззрения, развитие научного мышления и расширение их научно-технического кругозора.

Место дисциплины в учебном плане: дисциплина включена в вариативную часть учебного плана по направлению 36.04.02 – «Зоотехния» и является курсом по выбору.

Предшествующими курсами, на которых непосредственно базируется дисциплина, являются следующие дисциплины бакалавриата: маркетинг, информатика, генетика животных; разведение животных, технология животноводства, - и дисциплины магистратуры: информационные технологии; методология и методика научных исследований.

В результате освоения дисциплины «Основы геномики и биоинформатики» приобретенные знания позволяют выпускникам овладеть базовыми знаниями в области системной и молекулярной биологии, генетики и др.; студенты получат знакомство с методологией разработки алгоритмов компьютерного анализа данных геномики.

Требования к результатам освоения дисциплины: в результате освоения дисциплины формируются следующие компетенции: ПКос-1.1; ПКос-1.2; ПКос-1.3.

Краткое содержание дисциплины: Введение в биоинформатику и информационную биологию. Элементы теории информации. Природа и сложности интерпретации биологических данных. Методы анализа данных и текстовой информации в биологии. Главные объекты, средства и приемы биоинформационного анализа. Биологические базы данных. Базы данных генетических и белковых последовательностей, их использование. Биоинформационное моделирование.

Общая трудоемкость дисциплины: 108 часов/3 зачетных единицы, в т.ч. практическая подготовка – 4 часа.

Промежуточный контроль: зачет в семестре 1.

1. Цель освоения дисциплины

Целью освоения дисциплины «Основы геномики и биоинформатики» является подготовка высокопрофессиональных специалистов в области племенного животноводства. Курс ориентирован на ознакомление слушателей с общими принципами системной и молекулярной биологии, генетики и др.;

методологией разработки алгоритмов компьютерного анализа данных геномики.

2. Место дисциплины в учебном процессе

Дисциплина «Основы геномики и биоинформатики» включена в обязательный перечень дисциплин базовой части учебного плана. Дисциплина «Основы геномики и биоинформатики» реализуется в соответствии с требованиями ФГОС, ОПОП ВО и Учебного плана по направлению 36.04.02 – «Зоотехния».

Предшествующими курсами, на которых непосредственно базируется дисциплина, являются следующие дисциплины бакалавриата: маркетинг, информатика, генетика животных; разведение животных, технология животноводства, - и дисциплины магистратуры: информационные технологии; методология и методика научных исследований.

В результате освоения дисциплины «Основы геномики и биоинформатики» приобретенные знания позволяют выпускникам овладеть базовыми знаниями в области системной и молекулярной биологии, генетики и др.; студенты получат знакомство с методологией разработки алгоритмов компьютерного анализа данных геномики.

В рамках данного учебного курса изучаются Введение в биоинформатику и информационную биологию. Элементы теории информации. Природа и сложности интерпретации биологических данных. Методы анализа данных и текстовой информации в биологии. Главные объекты, средства и приемы биоинформационного анализа. Биологические базы данных. Базы данных генетических и белковых последовательностей, их использование. Биоинформационное моделирование.

Особенностью данного учебного курса является необходимость использования аудиторий – компьютерных классов, а также программного обеспечения, позволяющего осуществлять статистическую обработку массивов данных.

Рабочая программа дисциплины «Основы геномики и биоинформатики» для инвалидов и лиц с ограниченными возможностями здоровья разрабатывается индивидуально с учетом особенностей психофизического развития, индивидуальных возможностей и состояния здоровья таких обучающихся.

3. Перечень планируемых результатов обучения по дисциплине, соотнесенных с планируемыми результатами освоения образовательной программы

Изучение данной учебной дисциплины направлено на формирование у обучающихся компетенций, представленных в таблице 1.

Таблица 1

Требования к результатам освоения учебной дисциплины

| № п/п | Код компетенции | Содержание компетенции (или её части) | Индикаторы компе- тенции | В результате изучения учебной дисциплины обучающиеся должны: | | |
|----------|--------------------|---|--|---|---|---|
| | | | | знатъ | уметь | владеть |
| 1. | ПКос-1.1 | Способен разрабатывать и внедрять научно обоснованные технологии животноводства | Знать научные основы обеспечения высокой продуктивности и здоровья животных | Знает историю развития геномики и биоинформатики, теории и их место в современном естествознании; основные законы геномики и основные положения биоинформатики; основы химии и физики нуклеиновых кислот и белков; языки программирования и основные алгоритмы, используемые для анализа биоинформационных данных | | |
| 2. | ПКос-1.2 | | Уметь разрабатывать и внедрять технологические решения с учетом возможных последствий для здоровья и продуктивности животных | | использовать информацию из баз данных по структуре геномов и белков, а также другой биологической информации; применять методы и подходы биоинформатики для проведения компьютерного анализа данных геномики и протеомики | |
| 3. | ПКос-1.3 | | Владеть методами анализа технологических программ в животноводстве | | | терминологией и методологией геномики и биоинформатики; практическими методами программирования и навыками работы с биоинформационными ресурсами. |

4. Структура и содержание дисциплины

4.1 Распределение трудоёмкости дисциплины по видам работ по семестрам

Общая трудоемкость дисциплины составляет 3 зач.ед. (108 часов, в том числе практическая подготовка - 4), их распределение по видам работ семестрам представлено в таблице 2.

ОЧНАЯ ФОРМА ОБУЧЕНИЯ

Таблица 2

Распределение трудоёмкости дисциплины по видам работ по семестрам

| Вид учебной работы | Трудоёмкость | |
|--|----------------|---------------------|
| | час. | В т.ч. по семестрам |
| | | № 1 |
| Общая трудоёмкость дисциплины по учебному плану | 108/4 | 108/4 |
| 1. Контактная работа: | 36,25/4 | 36,25/4 |
| Аудиторная работа | 36/4 | 36/4 |
| <i>в том числе:</i> | | |
| лекции (Л) | 12 | 12 |
| практические занятия (ПЗ) | 24/4 | 24/4 |
| Контактная работа на промежуточном контроле (КРА) | 0,25 | 0,25 |
| 2. Самостоятельная работа (СРС) | 71,75 | 71,75 |
| <i>самостоятельное изучение разделов, самоподготовка (проработка и повторение лекционного материала и материала учебников и учебных пособий, подготовка к лабораторным и практическим занятиям, коллоквиумам и т.д.)</i> | 62,75 | 62,75 |
| 3. Подготовка к зачету (контроль) | 9 | 9 |
| Вид промежуточного контроля: | | Зачет |

4.2 Содержание дисциплины

Таблица 3

Тематический план учебной дисциплины

| Наименование разделов и тем дисциплин (укрупнено) | Всего | Аудиторная работа | | | Внеаудиторная работа СР |
|---|---------|-------------------|------|------------------|-------------------------|
| | | Л | ПЗ/С | ПКР ¹ | |
| Раздел 1. Организация биологических систем. Базовая информация о ДНК, РНК и белках. Процессы генной регуляции | 30 | 4 | 6 | | 20 |
| Раздел 2. Вариабельность генетической информации. Методы генетического конструирования и | 38,75/4 | 4 | 12/4 | | 22,75 |

¹ ПКР – прочая контактная работа (*курсовая работа (проект) (КР/КП) (консультация, защита); консультации перед экзаменом; контактная работа на промежуточном контроле (КРА)*)

| Наименование разделов и тем дисциплин (укрупнено) | Всего | Аудиторная работа | | | Внеаудиторная работа СР |
|---|--------------|-------------------|-------------|------------------|-------------------------|
| | | Л | ПЗ/С | ПКР ¹ | |
| анализа. Технологии секвенирования | | | | | |
| Раздел 3. Перспективы развития геномики и биоинформатики. | 30 | 4 | 6 | | 20 |
| Контактная работа на промежуточном контроле (КРА) | 0,25 | | | 0,25 | |
| Подготовка к зачету (контроль) | 9 | | | | |
| Всего за 1 семестр | 108/4 | 12 | 24/4 | 0,25 | 62,75 |
| Итого по дисциплине | 108/4 | 12 | 24/4 | 0,25 | 62,75 |

Раздел 1. Организация биологических систем. Базовая информация о ДНК, РНК и белках. Процессы генной регуляции.

Тема 1.1. Организация биологических систем.

Предмет геномики и биоинформатики. Структура биоинформатики и ОМИКС-технологии. Объекты и методы исследования. История развития наук о молекулярных основах жизни. Организация клеток прокариот и эукариот. Комpartmentизация. Органеллы, их структура и функции. Биомолекулы.

Тема 1.2. Базовая информация о ДНК, РНК и белках.

Основные понятия геномики. Аминокислоты, строение и свойства. ДНК, РНК, нуклеотиды. Нуклеотиды и нукleinовые кислоты. Аминокислоты и белки. Биологические последовательности. Основы молекулярной биологии. Организация генетической информации. Структура генов и регуляторные последовательности. Опероны и регулоны. Функционирование и организация геномов прокариот и эукариот. Укладка ДНК в эукариотических хромосомах. Обмен нукleinовых кислот. Репликация. Генетическая рекомбинация

Тема 1.3. Процессы генной регуляции.

Механизмы регуляции экспрессии генов. Основные уровни регуляции метаболизма, регуляция работы ферментов и транспорта веществ. Регуляция метаболизма на уровне транскрипции, влияние топологии ДНК на синтез белков. Процессинг РНК. Трансляция. Процессинг белков..

Раздел 2. Вариабельность генетической информации. Методы генетического конструирования и анализа. Технологии секвенирования.

Тема 2.1. Вариабельность генетической информации.

Вариабельность геномов. Методы генетического конструирования *in vivo*. Мобильные генетические элементы. Плазмиды. Генетическая трансформация. Протопласты. Основы мутагенеза. Виды мутаций. Генетическое конструирование эукариот.

Тема 2.2. Методы генетического конструирования и анализа.

Методы генетического конструирования *in vitro*. Генетическая инженерия. Технология рекомбинантных ДНК и клонирование. Гибридизация ДНК. Олигонуклеотид-направленный мутагенез. Полимеразная цепная реакция и её приложения. Методы изучения биологических последовательностей.

Тема 2.3. Технологии секвенирования.

Секвенирование биологических последовательностей. Высокопроизводительное секвенирование NGS. Химический синтез ДНК и РНК, конструирование генов. Геномное редактирование. Методы анализа последовательностей и структуры белков. Протеомика.

Раздел 3. Сравнение нуклеотидных и белковых последовательностей и филогенетический анализ. Перспективы развития биоинформатики.**Тема 3.1.** Сравнение нуклеотидных и белковых последовательностей и филогенетический анализ.

Геномы и протеомы. Анализ геномной ДНК, РНК и белка. Примеры сравнения данных. Матрицы замен. Программное обеспечение, интернет – ресурсы и сервисы. Биологические базы данных, их организация и наполнение. Обзор современных биологических баз данных. Алгоритмы выравнивания последовательностей. Множественное выравнивание последовательностей. Clustal. Анализ и предсказание структуры белков. Филогенетический анализ. BLAST и его использование. Множественное выравнивание белковых последовательностей. Визуализация и моделирование пространственных структур макромолекул.

Тема 3.2. Анализ больших массивов биологических данных.

Анализ NGS данных. Биоинформационные подходы к анализу РНК. Генная экспрессия. Анализ RNASeq данных. Структурная и функциональная геномика. Анализ белка и протеомика. Метаболомика. Метагеномный анализ.

Тема 3.3. Перспективы развития биоинформатики.

Биоинформатика в животноводстве. Перспективы развития биоинформатики

4.3 Лекции/лабораторные/практические/семинарские занятия

Таблица 4

Содержание лекций/лабораторного практикума/практических занятий/семинарских занятий и контрольные мероприятия

| № п/п | № раздела | № и название лекций/лабораторных/практических/семинарских занятий | Формируемые компетенции | Вид контрольного мероприятия | Кол-во часов |
|-------|--|---|------------------------------------|------------------------------|--------------|
| 1. | Раздел 1. Организация биологических систем. Базовая информация о ДНК, РНК и белках. Процессы генной регуляции. | | | | 10 |
| | Тема 1.1. Тема 1.2. Тема 1.3. | Лекция 1. Организация биологических систем. | ПКос-1.1; ПКос-1.2; ПКос-1.3 | | 4 |
| 2. | Раздел 2. Вариабельность генетической информации. Методы генетического конструирования и анализа. Технологии секвенирования. | | | | 16/4 |
| | Тема 2.1. Тема 2.2. Тема 2.3. | Лекция 2. Базовая информация о ДНК, РНК и белках. | ПКос-1.1; ПКос-1.2; ПКос-1.3 | | 4 |
| 3. | Раздел 3. Сравнение нуклеотидных и белковых последовательностей и филогенетический анализ. Перспективы развития биоинформатики. | | | | 10 |
| | Тема 3.1. Тема 3.2. Тема 3.3. | Лекция 3. Сравнение нуклеотидных и белковых последовательностей и филогенетический анализ. Перспективы развития биоинформатики | ПКос-1.1; ПКос-1.2; ПКос-1.3 | | 4 |
| | | Практическое занятие № 3. Анализ больших массивов биологических данных | ПКос-1.1; ПКос-1.2; ПКос-1.3 | Домашние задания, тест | 6 |

Таблица 5

Перечень вопросов для самостоятельного изучения дисциплины

| №п/п | № раздела и темы | Перечень рассматриваемых вопросов для самостоятельного изучения |
|---|--------------------------------------|---|
| Раздел 1. Организация биологических систем. Базовая информация о ДНК, РНК и белках. Процессы генной регуляции. | | |
| 1. | Тема 1.3. Процессы генной регуляции. | Механизмы регуляции экспрессии генов. Основные уровни регуляции метаболизма, регуляция работы ферментов и транспорта веществ. Регуляция метаболизма на уровне |

| №п/п | № раздела и темы | Перечень рассматриваемых вопросов для самостоятельного изучения |
|--|---|---|
| | | транскрипции, влияние топологии ДНК на синтез белков. Процессинг РНК. Трансляция. Процессинг белков... (ПКос-1.1; ПКос-1.2; ПКос-1.3). |
| Раздел 2. Вариабельность генетической информации. Методы генетического конструирования и анализа. Технологии секвенирования. | | |
| 2. | Тема 2.1. Вариабельность генетической информации. | Вариабельность геномов. Методы генетического конструирования <i>in vivo</i> . Мобильные генетические элементы. Плазмиды. Генетическая трансформация. Протопласти. Основы мутагенеза. Виды мутаций. Генетическое конструирование эукариот. (ПКос-1.1; ПКос-1.2; ПКос-1.3). |
| 3 | Тема 2.2. Методы генетического конструирования и анализа. | Полимеразная цепная реакция и её приложения. Методы изучения биологических последовательностей. (ПКос-1.1; ПКос-1.2; ПКос-1.3). |
| 4 | Тема 2.3. Положение о системе сертификации племенного материала и племенной продукции сельскохозяйственных животных. | Геномное редактирование. Методы анализа последовательностей и структуры белков. Протеомика. (ПКос-1.1; ПКос-1.2; ПКос-1.3). |
| Раздел 3. Сравнение нуклеотидных и белковых последовательностей и филогенетический анализ. Перспективы развития биоинформатики. | | |
| 5 | Тема 3.1. Сравнение нуклеотидных и белковых последовательностей и филогенетический анализ. | Филогенетический анализ. BLAST и его использование. Множественное выравнивание белковых последовательностей. Визуализация и моделирование пространственных структур макромолекул (ПКос-1.1; ПКос-1.2; ПКос-1.3). |
| 6 | Тема 3.2. Анализ больших массивов биологических данных. | Структурная и функциональная геномика. Анализ белка и протеомика. Метаболомика. Метагеномный анализ (ПКос-1.1; ПКос-1.2; ПКос-1.3). |
| 7 | Тема 3.3. Перспективы развития биоинформатики. | Биоинформатика в животноводстве. Пер Перспективы развития биоинформатики (ПКос-1.1; ПКос-1.2; ПКос-1.3). |

5. Образовательные технологии

Таблица 6
Применение активных и интерактивных образовательных технологий

| №п/п | Тема и форма занятия | Наименование используемых активных и интерактивных образовательных технологий | |
|-------------|-----------------------------|--|---|
| 1. | Разбор конкретных ситуаций | Л | Лекция 2. Базовая информация о ДНК, РНК и белках. |
| 2. | Разбор конкретных | ПЗ | Практическое занятие № 3. Анализ больших |

| № п/п | Тема и форма занятия | Наименование используемых активных и интерактивных образовательных технологий |
|------------------|-----------------------------|--|
| | ситуаций | массивов биологических данных. |

Общее количество часов аудиторных занятий, проведённых с применением активных и интерактивных образовательных технологий, составляет 6 часа, включая 4 часа практической подготовки (18,75% от объёма аудиторных часов по дисциплине).

6. Текущий контроль успеваемости и промежуточная аттестация по итогам освоения дисциплины

6.1. Типовые контрольные задания или иные материалы, необходимые для оценки знаний, умений и навыков и (или) опыта деятельности

Полностью материал оценки знаний, умений, навыков и (или) опыта деятельности, характеризующих этапы формирования компетенций в процессе освоения дисциплины представлены в Оценочных материалах дисциплины.

Текущий контроль по дисциплине осуществляется путем выполнения учащимися домашних работ. Тестовые задания включают вопросы и задания по основному материалу дисциплины, домашние работы включают задания, требующие умения и владения навыками анализа конкретных ситуаций.

Промежуточный контроль – зачет в 1 семестре. Представляет собой – включает 15 заданий базового уровня с выбором правильного ответа или написанием краткого ответа.

Критерии оценки знаний должны устанавливаться в соответствии с требованиями к профессиональной подготовке, исходя из действующих учебных планов и программ, с учётом характера конкретной дисциплины, а также будущей практической деятельности выпускника.

В качестве исходных рекомендуется общие критерии оценок:

Материалы для проведения текущего и промежуточного контроля приведены в фонде оценочных средств дисциплины «Основы геномики и биоинформатики». При выставлении оценки применяются следующие рекомендательные критерии (Положение о промежуточной аттестации обучающихся по основным профессиональным образовательным программам высшего образования – программам бакалавриата, специалитета и магистратуры в федеральном государственном бюджетном образовательном учреждении высшего образования «Российский государственный аграрный университет – МСХА имени К.А. Тимирязева» от 27 октября 2014 г.).

Типичный вариант теста для промежуточного контроля – зачет

1. Какие типы базы данных существуют:
 - a. Первичные, вторичные, третичные.
 - b. Иерархические, реляционные.
 - c. Архивные, курируемые, производные.

2. Чем занимается структурная биоинформатика?
 - a. Анализом пространственных структур
 - b. Анализом нуклеотидных и белковых последовательностей
 - c. Проблемами расшифровки генетических «текстов»
3. Что придумали в 1962 году?
 - a. Клонирование
 - b. Метод ПЦР полимеразная цепная реакция
 - c. Концепцию "молекулярных часов"
4. Первый шаг в исследовании функционирования клетки это...
 - a. Исследование метаболизма
 - b. Изучение структуры клетки
 - c. Прочтение полной нуклеотидной последовательности какого-либо генома
5. Целью биоинформатики является...
 - a. Накопление биологических знаний в форме
 - b. Построение и анализ математических моделей систем
 - c. Оба варианта являются верными
6. В 1965 году была секвенирована...
 - a. и-РНК
 - b. т-РНК
 - c. ДНК.
7. Транспортеры – это...
 - a. Гены, обеспечивающие перенос питательных веществ в клетку и выброс вредных из клетки
 - b. Гены, отвечающие за обработку питательных веществ
 - c. Гены, выбрасывающие непереработанные вещества.
8. Изучение геномов может позволить...
 - a. Исследовать метаболизм бактерий и, в случае патогенных организмов, найти потенциальные мишени для лекарств.
 - b. Оба варианта являются правильными.
 - c. Новые метаболические пути или ферменты.

Список задач и заданий, предлагаемых студентам для выполнения домашних работ, приведен в Фонде оценочных средств по дисциплине «Основы геномики и биоинформатики».

Перечень вопросов, выносимых на промежуточную аттестацию (зачет)

1. Понятие биоинформатики, примеры задач биоинформатики
2. Нуклеотидные последовательности
3. Поиск нуклеотидных последовательностей в NCBI
4. Парное выравнивание последовательностей, алгоритм Нидлмана-Вунша
5. Парное выравнивание последовательностей, другие алгоритмы
6. Множественное выравнивание нуклеотидных последовательностей
7. Выравнивание коротких последовательностей на референсные, алгоритм BWT
8. Выравнивание и поиск последовательностей в NCBI BLAST
9. Гены и их названия
- 10.Поиск и обработка таксономической информации
- 11.Биоинформатика геномов
- 12.Браузер геномов UCSC Genome Browser
- 13.Использование собственной информации в UCSC Genome Browser
- 14.Геномика человека и мыши в UCSC Genome Browser
- 15.Другие инструменты для работы с геномами
- 16.Метаболические сети в Kyoto Encyclopedia of Genes and Genomes
- 17.Методы молекулярной эволюции
- 18.Филогенетический анализ нуклеотидных последовательностей
- 19.Реконструкция филогенетических деревьев
- 20.Визуализация и редактирование филогенетических деревьев
- 21.Молекулярная эволюция на основе нуклеотидных и аминокислотных последовательностей
- 22.Молекулярная эволюция популяций
- 23.Биоинформатика белков
- 24.Выравнивание аминокислотных последовательностей
- 25.Предсказание и анализ вторичной структуры РНК
- 26.Работа со вторичной и третичной структурой белков
- 27.Инструменты секвенирования нового поколения
- 28.Решение комплексных задач биоинформатики
- 29.Обработка данных секвенирования нового поколения
- 30.Высокопроизводительные вычисления в биоинформатике
- 31.Примеры высокопроизводительных задач в биоинформатике
- 32.Примеры решения комплексных задач биоинформатики

6.2. Описание показателей и критериев контроля успеваемости, описание шкал оценивания

Для оценки знаний, умений, навыков и формирования компетенции по дисциплине применяется традиционная система контроля и оценки успеваемости студентов.

Результаты зачёта оцениваются как «зачтено» и «не зачтено».

В соответствии с Положением о промежуточной аттестации обучающихся (http://www.timacad.ru/about/data/docs/documents/promeg_attestaziy.pdf), принятом

Ученым советом ФГБОУ ВО РГАУ-МСХА имени К.А. Тимирязева 27 октября 2014 оценка «Зачтено» выставляется на основе успешных ответов студентов на семинарах, коллоквиумах, по результатам контрольных работ, рефератов и отсутствия занятий, пропущенных по неуважительной причине и неотработанных до начала зачетной недели. В остальных случаях, студент обязан в период зачетной недели ликвидировать имеющиеся неотработанные задолженности по дисциплине».

7. Учебно-методическое и информационное обеспечение дисциплины

7.1 Основная литература

1. Часовских, Н. Ю. Биоинформатика : учебно-методическое пособие / Н. Ю. Часовских. — Томск : СибГМУ, 2015. — 109 с. — Текст : электронный // Лань : электронно-библиотечная система. — URL: <https://e.lanbook.com/book/105971> (дата обращения: 09.09.2024). — Режим доступа: для авториз. пользователей.
2. Часовских, Н. Ю. Практикум по биоинформатике : учебное пособие / Н. Ю. Часовских. — Томск : СибГМУ, [б. г.]. — Часть 1 — 2019. — 135 с. — ISBN 978-5-98591-145-9. — Текст : электронный // Лань : электронно-библиотечная система. — URL: <https://e.lanbook.com/book/138707> (дата обращения: 09.09.2024). — Режим доступа: для авториз. пользователей.
3. Часовских, Н. Ю. Практикум по биоинформатике : учебное пособие / Н. Ю. Часовских. — Томск : СибГМУ, [б. г.]. — Часть 2 — 2019. — 126 с. — ISBN 978-5-98591-147-3. — Текст : электронный // Лань : электронно-библиотечная система. — URL: <https://e.lanbook.com/book/138708> (дата обращения: 09.09.2024). — Режим доступа: для авториз. пользователей.
4. Стефанов, В. Е. Биоинформатика : учебник для вузов / В. Е. Стефанов, А. А. Тулуб, Г. Р. Мавропуло-Столяренко. — Москва : Издательство Юрайт, 2022. — 252 с. — (Высшее образование). — ISBN 978-5-534-00860-9. — Текст : электронный // Образовательная платформа Юрайт [сайт]. — URL: <https://urait.ru/bcode/489775> (дата обращения: 09.09.2024).

7.2. Дополнительная литература

1. Правовое обеспечение безопасного использования генетической и геномной информации : учебник для вузов / Л. Н. Берг [и др.] ; под редакцией Л. Н. Берг, А. В. Лисаченко. — Москва : Издательство Юрайт, 2022. — 123 с. — (Высшее образование). — ISBN 978-5-534-14896-1. — Текст : электронный // Образовательная платформа Юрайт [сайт]. — URL: <https://urait.ru/bcode/497012> (дата обращения: 09.09.2024).
2. Разведение животных : учебник / В. Г. Кашихало, Н. Г. Фенченко, О. В. Назарченко, С. А. Грищенко. — Санкт-Петербург : Лань, 2020. — 336 с. — Текст : электронный // Лань : ЭБС. — URL: <https://e.lanbook.com/book/133905> — Режим доступа: для авториз. пользователей.
3. Шендаков, А. И. Основы селекции сельскохозяйственных животных : учебное пособие / А. И. Шендаков. — Санкт-Петербург : Лань, 2020. — 240 с. — Текст : электронный // Лань : ЭБС. — URL: <https://e.lanbook.com/book/133911>. — Режим доступа: для авториз. пользователей.
4. Иванова, И.П. Племенное дело : учебное пособие / И.П. Иванова, И.В. Троценко. — Омск : Омский ГАУ, 2018. — 79 с. — Текст : электронный // Лань : ЭБС. — URL: <https://e.lanbook.com/book/105583>. — Режим доступа: для авториз. пользователей.

7.3 Методические указания, рекомендации и другие материалы к занятиям

Конспекты лекций, соответствующие разделы и главы основной и дополнительной литературы.

8. Перечень ресурсов информационно-телекоммуникационной сети «Интернет», необходимых для освоения дисциплины

1. <http://elibrary.ru> Научная электронная библиотека eLibrary.ru
2. <http://omia.angis.org.au> Научная справочная база данных по генетике животных OMIA - Online Mendelian Inheritance in Animals.
3. <http://www.ncbi.nlm.nih.gov> Национальный центр биотехнологической информации NCBI - National Center for Biotechnology Information.
4. <http://www.garant.ru> Справочная правовая система «Гарант».

10. Описание материально-технической базы, необходимой для осуществления образовательного процесса по дисциплине

Для осуществления образовательного процесса по дисциплине «Основы геномики и биоинформатики» необходимы аудитории: лекционные, для проведения практических, лабораторных и семинарских занятий, для самостоятельной работы студентов.

Для чтения лекций и демонстрации иллюстративного материала и видеофильмов на практических занятиях необходима лекционная аудитория, оснащенная мультимедийным оборудованием: компьютер, видеопроектор, настенный экран.

Для проведения экзаменационного тестирования необходим компьютерный класс.

Таблица 10

Сведения об обеспеченности специализированными аудиториями, кабинетами, лабораториями

| Наименование специальных помещений и помещений для самостоятельной работы (№ учебного корпуса, № аудитории) | Оснащенность специальных помещений и помещений для самостоятельной работы |
|---|---|
| 1 | 2 |
| Лекционная аудитория имени Н.Н. Худякова, Учебный корпус №9 (ул. Тимирязевская, 52), ауд. 225. | Лавки и столы аудиторные (аудитория на 150 чел.) Доска меловая Экран с электроприводом Видеопроектор Системный блок с монитором |
| Аудитория для практических, лабораторных и семинарских занятий Учебный корпус №9 (ул. Тимирязевская, 52), ауд. 208. | Системный блок с монитором 558777/17 Экран с электроприводом 558761/5 Вандалоустойчивый шкаф 558850/15 Видеопроектор 558760/7 Доска PolyVision 558534/14 Крепление для проектора 558768/10 Стул ИЗО (25 шт.) 558578 |

| Наименование специальных помещений и помещений для самостоятельной работы (№ учебного корпуса, № аудитории) | Оснащенность специальных помещений и помещений для самостоятельной работы |
|--|--|
| | Стол лабораторный (13 шт.) 558579/29, 558579/30, 558579/31, 558579/32, 558579/33, 558579/34, 558579/35, 558579/36, 558579/37, 558579/38, 558579/39, 558579/40, 558579/41. |
| Аудитория для практических, лабораторных и семинарских занятий Учебный корпус №9 (ул. Тимирязевская, 52), ауд. 211. | Доска 1 эл.120x230 маркер 559142 Стул ИЗО (21 шт.) 558578 Стол лабораторный (11 шт.) 558579, 558579/19, 558579/20, 558579/21, 558579/22, 558579/23, 558579/24, 558579/25, 558579/26, 558579/27, 558579/28. |
| Лаборатория генетического практикума Учебный корпус №9 (ул. Тимирязевская, 52), ауд. 120. | Шкаф сушильный СШ-80 (б/н) Плита газовая «Лада» 551937 Стол лабораторный 2 шт. (б/н) Шкаф вытяжной 30273/6 Весы лабораторные (б/н) |
| Аудитория для практических, семинарских и самостоятельных занятий Учебный корпус №9 (ул. Тимирязевская, 52), ауд. 202. | Доска 1 эл.120x230 маркер 559143 Стол аудиторный (14 шт.) 558588 Лавка аудиторная (14 шт.) 558589 |
| Помещения для самостоятельной работы студентов ЦНБ имени Н.И. Железнова (ул. Лиственничная аллея, д.2 к.1) | Читальный зал |
| Помещения для самостоятельной работы студентов Общежитие №8 (ул. Верхняя аллея, 2Б) | Комната для самоподготовки |

11. Методические рекомендации студентам по освоению дисциплины

При изучении дисциплины студент должен учитывать следующие особенности курса.

1. Один и тот же материал не повторяется на лекциях и практических занятиях. Для того чтобы эффективно выполнять задания на практических занятиях, студент должен владеть материалом предшествующих лекций.

2. Самостоятельная работа студента, отведенная Учебным планом на освоение дисциплины, составляет **75,65** часа. Вопросы, рекомендованные к самостоятельному изучению, как правило, не рассматриваются или рассматриваются очень кратко на лекциях и практических занятиях. Для успешного усвоения лекционного материала и выполнения заданий на практических занятиях необходимо своевременно, в назначенные преподавателем сроки, прорабатывать вопросы для самостоятельного изучения, а все, что осталось непонятым, обсудить с преподавателем во время консультации или на практическом занятии.

В течение семестра деканатом проводится контрольное мероприятие по оценке успеваемости и посещаемости занятий (Контрольная неделя).

Общая организация проведения промежуточной аттестации осуществляется согласно Положению о промежуточной аттестации обучающихся от 27.10.2014 по основным профессиональным образовательным программам высшего образования - программам бакалавриата, специалитета и магистратуры в ФГБОУ ВО РГАУ-МСХА имени К.Л. Тимирязева (<https://www.timacad.ru/>

uploads/files/20171107/1510052708_polozh_promeg_attestaziy.pdf), с выпиской из которого ознакомляют студентов.

Виды и формы отработки пропущенных занятий

Студент, пропустивший занятие, обязан отработать пропущенное занятие в соответствии с графиком проведения консультаций, согласованном со студентами.

Студент, пропустивший два практических занятия подряд, обязан представить разрешение из деканата на дальнейшее посещение занятий.

12. Методические рекомендации преподавателям по организации обучения по дисциплине

Преподаватель должен обеспечить студенту возможность самостоятельной творческой работы на практических занятиях. Большей частью практические занятия проводятся в форме разбора конкретных ситуаций. Для этого студент получает набор данных, полученных в конкретных наблюдениях и экспериментах. Осваивая методы статистического анализа данных, студент должен выбрать метод анализа и осуществить расчеты необходимых параметров. На основе сформулированных выводов студент должен сделать рекомендации о возможности использования животного в разведении, организации систем спариваний, методах профилактики распространения наследственных дефектов и болезней, ожидаемых значениях количественных признаков и т.д. Задания могут выполняться индивидуально или в небольших (2-3 человека) группах.

Программу разработали:

Гладких Марианна Юрьевна, к.с.-х.н., доцент

Селионова Марина Ивановна, д.б.н., профессор

РЕЦЕНЗИЯ

на рабочую программу дисциплины Б1.В.ДВ.02.01

«Основы геномики и биоинформатики»

ОПОП ВО по направлению 36.04.02 – «Зоотехния», профиль «Генетические методы и биоинформатика в племенном животноводстве»
(квалификация выпускника – магистр)

Османяном Артемом Карловичем, профессором кафедры частной зоотехнии, ФГБОУ ВО «Российский государственный аграрный университет - МСХА имени К.А. Тимирязева», доктором сельскохозяйственных наук (далее по тексту рецензент), проведена рецензия рабочей программы дисциплины «Основы геномики и биоинформатики» ОПОП ВО по направлению 36.04.02 – «Зоотехния», профиль «Генетические методы и биоинформатика в племенном животноводстве» (квалификация выпускника – магистр), разработанной в ФГБОУ ВО «Российский государственный аграрный университет – МСХА имени К.А. Тимирязева», на кафедре кормления и разведения животных (разработчики – Гладких Марианна Юрьевна, доцент, к.с.-х.н. Селионова Марина Ивановна, профессор, д.б.н.).

Рассмотрев представленные на рецензию материалы, рецензент пришел к следующим выводам:

1. Предъявленная рабочая программа дисциплины «Основы геномики и биоинформатики» (далее по тексту Программа) соответствует требованиям ФГОС ВО по направлению 36.04.02 – «Зоотехния». Программа содержит все основные разделы, соответствует требованиям к нормативно-методическим документам.

2. Представленная в Программе актуальность учебной дисциплины в рамках реализации ОПОП ВО не подлежит сомнению – является дисциплиной по выбору вариативной части учебного цикла.

3. Представленные в Программе цели дисциплины соответствуют требованиям ФГОС ВО направления 36.04.02 – «Зоотехния».

4. В соответствии с Программой за дисциплиной «Основы геномики и биоинформатики» закреплено 3 индикатора одной производственно-технологической компетенции. Дисциплина «Основы геномики и биоинформатики» и представленная Программа способна реализовать их в объявленных требованиях.

5. Общая трудоёмкость дисциплины «Основы геномики и биоинформатики» составляет 3 зачётных единицы (108 часов), в том числе практическая подготовка – 4 часа.

6. Информация о взаимосвязи изучаемых дисциплин и вопросам исключения дублирования в содержании дисциплин соответствует действительности. Дисциплина «Основы геномики и биоинформатики» взаимосвязана с другими дисциплинами ОПОП ВО и Учебного плана по направлению 36.04.02 – «Зоотехния» и возможность дублирования в содержании отсутствует.

7. Представленная Программа предполагает использование современных образовательных технологий, используемые при реализации различных видов учебной работы. Формы образовательных технологий соответствуют специфике дисциплины.

8. Программа дисциплины «Основы геномики и биоинформатики» предполагает 8 занятий в интерактивной форме, включая 4 часа практической подготовки.

9. Виды, содержание и трудоёмкость самостоятельной работы студентов, представленные в Программе, соответствуют требованиям к подготовке выпускников, содержащимся во ФГОС ВО направления 36.04.02 – «Зоотехния».

10. Представленные и описанные в Программе формы текущей оценки знаний (выполнение контрольных работ, защита работы), соответствуют специфике дисциплины и требованиям к выпускникам.

Форма промежуточного контроля знаний студентов, предусмотренная Программой, осуществляется в форме зачета, что соответствует статусу дисциплины, как дисциплины по выбору вариативной части учебного цикла – ФГОС ВО направления 36.04.02 – «Зоотехния».

11. Формы оценки знаний, представленные в Программе, соответствуют специфике дисциплины и требованиям к выпускникам.

12. Учебно-методическое обеспечение дисциплины представлено: основной литературой – 4 источника (базовый учебник), дополнительной литературой – 4 наименования, Интернет-ресурсы – 4 источника и соответствует требованиям ФГОС ВО направления 36.04.02 – «Зоотехния».

13. Материально-техническое обеспечение дисциплины соответствует специфике дисциплины «Основы геномики и биоинформатики» и обеспечивает использование современных образовательных, в том числе интерактивных методов обучения.

14. Методические рекомендации студентам и методические рекомендации преподавателям по организации обучения по дисциплине дают представление о специфике обучения по дисциплине «Основы геномики и биоинформатики».

ОБЩИЕ ВЫВОДЫ

На основании проведенной рецензии можно сделать заключение, что характер, структура и содержание рабочей программы дисциплины «Основы геномики и биоинформатики» ОПОП ВО по направлению 36.04.02 – «Зоотехния», профиль «Генетические методы и биоинформатика в племенном животноводстве» (квалификация выпускника – магистр), разработчики – Гладких Марианна Юрьевна, доцент, к.с.-х.н. Селионова Марина Ивановна, профессор, д.б.н., соответствует требованиям ФГОС ВО, современным требованиям экономики, рынка труда и позволит при её реализации успешно обеспечить формирование заявленных компетенций.

Рецензент: Османяном Артем Карлович, профессор кафедры частной зоотехнии, ФГБОУ ВО «Российский государственный аграрный университет - МСХА имени К.А. Тимирязева», доктор сельскохозяйственных наук Артем
«17» 06 2025 г.
(подпись)